

Original Article

The level of expression of programmed death type 1 during the natural course of hepatitis B virus infection in asymptomatic carriers of hepatitis B

Sharifi Z.¹, Yadgari A.¹, Paz Z.¹

¹Blood Transfusion Research Center, High Institute for Research and Education in Transfusion Medicine, Tehran, Iran

Abstract

Background and Objectives

During chronic hepatitis B virus infection, the dynamic balance between virus replication and the host immune response is crucial in developing liver disease. In this study, the level of expression of programmed death type 1 in asymptomatic donors infected with hepatitis B during the natural course of the infection was investigated.

Materials and Methods

In this case-control study, 120 blood donors were divided into two groups. The first control group included 60 healthy individuals who tested negative for HBsAg and anti-HBc. The second group, known as the case group, comprised 60 asymptomatic HBV-infected blood donors who tested positive for HBsAg and anti-HBc. All participants were entered from the Tehran Blood Center in 2018. To check gene expression after RNA extraction and cDNA synthesis, a Real-Time PCR test was performed for the *PD-1* gene and β -actin reference gene, then using REST software, gene expression changes compared to the healthy group were checked.

Results

All the samples of asymptomatic HBV-infected blood donors were 100% positive for total anti-HBc, anti-HBe, and negative for HBe Ag. The gene expression levels were analyzed using REST software, utilizing Cycle Threshold values obtained from Real-Time PCR tests for the *PD-1* gene and a reference gene. The analysis revealed 1.5 times increase in *PD-1* gene expression in asymptomatic HBV-infected donors compared to healthy donors. However, this increase was not found to be statistically significant.

Conclusions

PD-1 gene expression does not change during the normal course of chronic HBV infection in asymptomatic HBV-infected donors and is similar to healthy individuals.

Key words: Hepatitis B Virus, Real-Time PCR, Asymptomatic Infections

Received: 8 Oct 2024

Accepted: 3 Nov 2024

Correspondence: Sharifi Z., PhD of Virology. Professor of Blood Transfusion Research Center, High Institute for Research and Education in Transfusion Medicine.
P.O.Box: 14665-1157, Tehran, Iran. Tel: (+9821) 82052152; Fax: (+9821) 88601555
E-mail: sharifiz@yahoo.com

میزان بیان مرگ برنامه‌ریزی شده نوع ۱ طی سیر طبیعی عفونت ویروس هپاتیت B در ناقل فاقد علائم هپاتیت B

زهره شریفی^۱، عباس یادگاری^۲، زهرا پاز^۳

چکیده

سابقه و هدف

در طول عفونت مزمن ویروس هپاتیت B، تعادل پویا بین تکثیر ویروس و پاسخ ایمنی میزبان در ایجاد بیماری کبدی از اهمیت زیادی برخوردار است. در این مطالعه، میزان بیان مرگ برنامه‌ریزی شده نوع ۱ در اهداکنندگان فاقد علائم مبتلا به هپاتیت B طی سیر طبیعی عفونت ویروس هپاتیت B بررسی شد.

مواد و روش‌ها

در این مطالعه مورد-شاهدی، ۱۲۰ اهداکننده خون به دو گروه ۶۰ نفره شامل کنترل یا سالم و اهداکننده فاقد علائم HBsAg و anti-HBc مثبت تقسیم و به طور تصادفی در سال ۱۳۹۸ از پایگاه تهران وارد مطالعه شدند. برای بررسی بیان ژن پس از استخراج RNA و ساخت cDNA، آزمایش Real-Time PCR برای ژن *PD-1* و ژن رفرانس *β-actin* انجام شد سپس با استفاده از نرم‌افزار REST و آنوا، تغییرات بیان ژن نسبت به گروه سالم بررسی شد ($p < ۰/۰۵$).

یافته‌ها

تمام نمونه‌های اهداکنندگان فاقد علائم مبتلا به هپاتیت B از نظر Total anti-HBc و anti-HBe، ۱۰۰٪ مثبت و از نظر HBe Ag منفی بودند. میزان بیان ژن با استفاده از نرم افزار REST و ct‌های به دست آمده از آزمایش Real-Time PCR برای ژن *PD-1* و ژن رفرانس تجزیه و تحلیل شد و افزایش ۱/۵ برابر بیان ژن *PD-1* در اهداکنندگان فاقد علائم مبتلا به هپاتیت B نسبت به افراد سالم نشان داده شد که از نظر آماری معنادار نبود.

نتیجه‌گیری

بیان ژن *PD-1* در طول سیر طبیعی عفونت مزمن HBV در افراد فاقد علائم مبتلا به هپاتیت B به طور معنادار تغییری نمی‌کند و مشابه افراد سالم است.

کلمات کلیدی: ویروس هپاتیت B، Real-Time PCR، عفونت بدون علامت

تاریخ دریافت: ۱۴۰۳/۰۷/۱۷

تاریخ پذیرش: ۱۴۰۳/۰۸/۱۳

۱- مؤلف مسئول: PhD ویروس‌شناسی - استاد مرکز تحقیقات انتقال خون - مؤسسه عالی آموزشی و پژوهشی طب انتقال خون - تهران - ایران - صندوق پستی: ۱۴۶۶۵-۱۱۵۷

۲- کارشناس ارشد زیست فناوری - مرکز تحقیقات انتقال خون - مؤسسه عالی آموزشی و پژوهشی طب انتقال خون - تهران - ایران
۳- کارشناس میکروپزشناسی - مرکز تحقیقات انتقال خون - مؤسسه عالی آموزشی و پژوهشی طب انتقال خون - تهران - ایران

مقدمه

هپاتیت B یک بیماری عفونی کبدی است که توسط ویروس هپاتیت B (HBV) ایجاد می‌شود، ویروس دارای پوشش و حاوی یک ژنوم DNA نسبتاً دو رشته‌ای حلقوی است (۱). بیش از میلیون‌ها نفر به ویروس HBV مبتلا شده‌اند و تقریباً ۳۵۰ میلیون نفر از آن‌ها دارای عفونت مزمن HBV هستند و به ناقل ویروس تبدیل شده‌اند (۲). اکنون به طور گسترده پذیرفته شده است که پاسخ‌های ایمنی اکتسابی به ویژه پاسخ ایمنی سلولی، سبب پاکسازی HBV می‌شود (۳-۵). در بیشتر موارد، بیماران مبتلا به HBV مزمن، اختلال شدید عملکرد سلول T اختصاصی HBV را نشان می‌دهند که به دلیل سطح پایین سیتوکاین‌های ضد ویروسی و اختلال در فعالیت لنفوسیت‌های T سیتوتوکسیک (CTLs) همراه با ویرمی پایدار نشان داده می‌شود (۲). در طول عفونت مزمن ویروس هپاتیت B (HBV)، تعادل پویایی بین تکثیر ویروس و پاسخ ایمنی میزبان برای بیماری‌زایی کبدی از اهمیت برخوردار است.

مطابق با ویژگی‌های ایمنی، عفونت مزمن HBV را می‌توان از نظر بالینی به چهار مرحله ایمنی یعنی مرحله تحمل ایمنی، مرحله فعال ایمنی، فاز پایدار ایمنی یا مرحله ناقل غیر فعال ویروس CHB (Chronic Hepatitis B) و مرحله فعال‌سازی مجدد ایمنی مشخص می‌شود. به طور گسترده پذیرفته شده است که پاسخ‌های ایمنی اکتسابی، به ویژه پاسخ‌های ایمنی سلولی، واسطه پاکسازی HBV است (۳-۶).

با توجه به اختلال در عملکرد سلول‌های T اختصاصی HBV در بیماران مبتلا به عفونت مزمن HBV که با سطوح پایین سیتوکاین‌های ضد ویروسی، اختلال در فعالیت لنفوسیت‌های T سیتوتوکسیک و ویرمی پایدار مشخص می‌شود، هنوز مکانیسم زیربنایی این نقص سلول T در عفونت مزمن HBV به طور کامل شناخته نشده است (۷).

پروتئین مرگ سلولی برنامه‌ریزی شده (PD-1) یک پروتئین غشایی ۵۵ کیلو دالتون است که از ۲۸۸ اسید آمینه تشکیل شده و در انسان ژن کدکننده آن بر روی بازوی بلند

کروموزوم شماره ۲ و به عنوان یک گیرنده تحریک‌کننده منفی است. PD-1 با لیگاندهای خود، PD-L1 و PD-L2 برای کاهش پاسخ‌های سلول T تعامل می‌کند و به نظر می‌رسد برای تنظیم تحمل سلول‌های T اهمیت ویژه‌ای دارد. مسیر PD-1/PD-L1 به خوبی مطالعه شده است که نقش منفی در تنظیم فعال‌سازی و تکثیر سلول‌های T و تولید سیتوکاین‌ها دارد (۸-۱۱). شواهد نشان می‌دهد مسیر PD-1 نقش مهمی در مهار عملکرد سلول‌های $CD8^+$ T اختصاصی ویروس در عفونت مزمن ویروسی شامل ویروس نقص ایمنی انسانی (HIV)، ویروس هپاتیت C (HCV) و HBV دارد (۱۲-۱۵). اگر چه گزارش‌هایی در مورد تغییرات سطوح بیان PD-1 و پاسخ‌های سلول T در بیماران مبتلا به عفونت HBV موجود است، الگوی تغییر بیان PD-1 در سیر طبیعی عفونت مزمن HBV نیاز به بررسی بیشتر دارد (۱۶).

درک چنین تغییراتی در بیان PD-1 و پاسخ‌های سلول T در دوره عفونت مزمن HBV در مدیریت ناقلین HBV بسیار مهم است. به دلیل تغییرات سطوح بیان PD-1 در تنظیم پاسخ سلول T، در این مطالعه، بیان PD-1 در سیر طبیعی عفونت مزمن ویروس هپاتیت B در افراد فاقد علائم ناقل HBV بررسی شد.

مواد و روش‌ها

در این مطالعه مورد-شاهدی، ۱۲۰ اهداکننده خون به دو گروه کنترل (۶۰ نفر سالم) که از نظر HBsAg و anti-HBc و آنتی‌بادی علیه HCV و HIV-1 منفی بودند و ۶۰ نفر گروه مورد شامل اهداکننده خون فاقد علائم که فقط از نظر HBsAg و anti-HBc مثبت و از نظر آنتی‌بادی علیه HCV و HIV-1 منفی بودند، به طور تصادفی در سال ۱۳۹۸ از پایگاه تهران وارد مطالعه شدند. نمونه خون در لوله حاوی EDTA گرفته شد و در $g 3000$ به مدت ۱۵ دقیقه سانتریفیوژ شد. پلاسما و باقی‌کوت جمع‌آوری و در فریزر منفی ۷۰ درجه سانتی‌گراد ذخیره شد. این مطالعه در کمیته اخلاق مؤسسه عالی طب انتقال خون مورد تایید قرار گرفت و همه شرکت‌کنندگان در مطالعه رضایت آگاهانه کتبی را امضا کردند.

آزمایش‌های سرولوژیک:

بر روی نمونه‌های HBsAg مثبت، آزمایش‌های anti-HBc و HBe Ag، Total anti-HBc از کیت‌های الیزای شرکت دیپرو، ایتالیا بر اساس دستور کار کیت انجام شد.

آزمایش‌های عملکرد کبد:

آزمایش‌های آلانین آمینوترانسفراز (ALT) با استفاده از کیت شرکت پارس آزمون (ایران) بر اساس دستور کار کیت بر روی نمونه‌ها انجام شد.

استخراج RNA:

استخراج RNA با استفاده از کیت پارس توس از بافی‌کوت نمونه‌ها بر اساس دستور کار کیت انجام شد. جهت بررسی غلظت و خلوص RNA از دستگاه اسپکتروفتومتر نانودرآپ (آمریکا) استفاده شد و جذب نوری نمونه‌های RNA در طول موج‌های ۲۶۰ و ۲۸۰ نانومتر اندازه‌گیری شد.

ساخت cDNA:

ساخت cDNA با استفاده از کیت پارس توس بر روی RNA های استخراج شده از بافی‌کوت‌ها و مطابق دستورالعمل کیت انجام شد.

آزمایش Real-Time PCR برای بررسی بیان ژن:

بر روی نمونه ۶۰ اهداکننده فاقد علائم ناقل HBV و ۶۰ نمونه اهداکننده سالم، بررسی بیان ژن PD-1 به عنوان ژن هدف و ژن β -actin به عنوان ژن رفرانس با استفاده از آغازگرهای اختصاصی PD-1 (جلوبرنده: CCCTGGTGGTTGGTGTCTCGT و معکوس: GCCTGGCTCCTATTGTCCCTC) و ژن بتا-اکتین (β -actin) (جلوبرنده: TGGCAGCCAGCACAATGAA و معکوس: CTAAGTCATAGTCCGCTAGAAG) با روش سایبرگرین انجام شد. حجم نهایی هر واکنش ۲۰ میکرولیتر شامل $10 \times 2 \mu\text{L}$ مسترمیکس سایبرگرین (آمپلیکون، دانمارک)، $0.5 \mu\text{L}$ از آغازگرهای جلوبرنده و

معکوس و مقدار $2 \mu\text{L}$ cDNA و $7 \mu\text{L}$ آب مقطر با چرخه دمایی ۹۵ درجه سانتی‌گراد به مدت ۱۵ دقیقه و ۳۵ چرخه شامل ۹۵ درجه سانتی‌گراد ۳۰ ثانیه، ۵۹ درجه سانتی‌گراد ۳۰ ثانیه، ۷۲ درجه سانتی‌گراد ۳۰ ثانیه و گرادیانت دمایی ۷۰ تا ۹۵ درجه سانتی‌گراد به مدت ۶۰ ثانیه انجام شد.

تجزیه و تحلیل داده‌ها:

برای بررسی ریل تایم از نرم‌افزار LinRegPCC، ۲۰۰۹ REST استفاده شد (۱۱). تجزیه و تحلیل همبستگی اسپیرمن جهت بیان PD-1 و سطح ALT انجام شد. $0.05/p <$ از نظر آماری معنادار در نظر گرفته شد.

یافته‌ها

تمام نمونه‌های اهداکنندگان فاقد علائم مبتلا به هپاتیت B از نظر (Total) anti-HBc و anti-HBe ۱۰۰٪ مثبت بودند و از نظر HBe Ag منفی بودند. میانگین و انحراف معیار حاصل از اندازه‌گیری ALT برحسب IU/L در گروه شاهد و مورد به ترتیب برابر $29 \pm 0/11$ و $28 \pm 0/21$ بود. تجزیه و تحلیل همبستگی اسپیرمن بین بیان PD-1 و سطح ALT انجام شد و بین دو گروه اختلاف معناداری وجود نداشت. از نظر جنس هر دو گروه شامل ۹۵٪ مرد و ۵٪ زن بودند. آزمون مجذور کا نشان داد که توزیع فراوانی جنس بین دو گروه اختلاف معنادار ندارد. میانگین سنی مورد و شاهد به ترتیب $39 \pm 5/8$ و $37 \pm 9/2$ سال بود که در آزمون t مستقل اختلاف معناداری بین میانگین سن‌ها وجود نداشت.

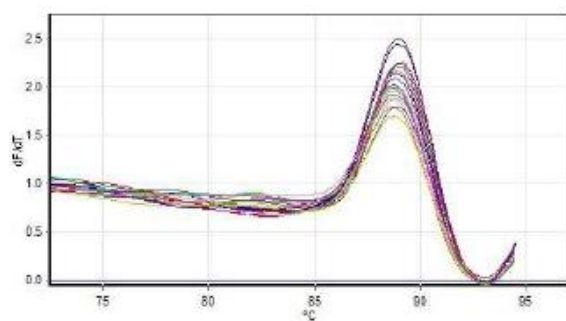
نتایج بررسی کمی و خلوص RNA های استخراج شده دارای غلظت بالا و خلوص $280/260$ برابر $1/85-2$ بود. برای بررسی بیان ژن PD-1، ابتدا نمونه‌های منحنی ذوب برای ژن هدف PD-1 و ژن رفرانس β -actin مورد بررسی قرار گرفت و دمای ذوب $86 \pm 1^\circ\text{C}$ و $88 \pm 1^\circ\text{C}$ به ترتیب برای آن‌ها ثبت شد (نمودارهای ۱ و ۲). پس از بررسی منحنی سیگموئید و منحنی ذوب و صحت واکنش، ct هر یک از نمونه‌ها برای ژن هدف و کنترل ثبت شد. هم‌چنین کارایی آغازگرها و واکنش PCR با نرم‌افزار LinReg بررسی شد. با استفاده از نرم‌افزار REST نتایج تجزیه و

روی PBMCS و هپاتوسیت‌های آلوده به ویروس موجب تقویت مسیر مهاری و کاهش شدت پاسخ ایمنی می‌شود. موارد فوق نشان‌دهنده اهمیت مسیر سیگنالینگ PD-1/PD-L1 در اختلال عملکرد سلول‌های T در افراد مبتلا به عفونت مزمن هپاتیت B می‌باشد (۱۳).

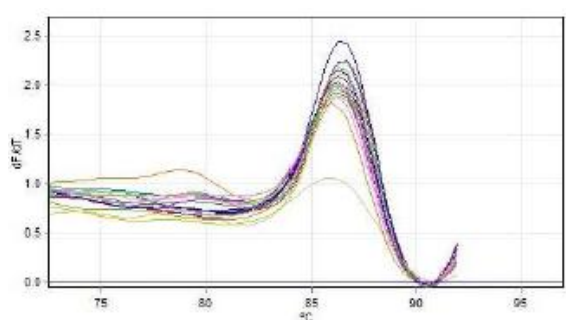
در این مطالعه، افزایش بیان جزیی ژن PD-1، در اهداکنندگان خون مبتلا به هپاتیت B فاقد علائم نسبت به افراد سالم که از نظر آماری معنادار نبود، نشان داد که افزایش بیان ژن تنها در مرحله‌ای از بیماری که فرد از نظر واکنش ایمنی به ویروس فعال باشد، افزایش می‌یابد و در وضعیت ناقل غیر فعال و ویروسی، سطح بیان ژن PD-1 نزدیک به افراد سالم است که با مطالعه‌های قبلی نیز هم‌خوانی دارد و نشان می‌دهد سطح بیان PD-1 در تنظیم فعال شدن و تکثیر سلول‌های T و تولید سیتوکاین‌ها در اهداکنندگان مبتلا به هپاتیت B فاقد علائم، تغییری نمی‌کند (۱۶). گزارش‌هایی در مورد تغییرات سطح بیان PD-1 و پاسخ‌های سلول T در بیماران مبتلا به عفونت HBV موجود است و این الگوی تغییر بیان PD-1 در سیر طبیعی عفونت مزمن HBV همراه با پاسخ‌های سلول T در دوره عفونت مزمن HBV در مدیریت ناقلین HBV بسیار مهم است (۱۶). مطالعه‌ها نشان داده که فعال شدن مسیر سیگنالینگ PD-1 ارتباط نزدیکی با عملکرد نادرست سلول‌های T در مرحله کلیرانس ایمنی عفونت مزمن دارد، اما در دیگر مراحل عفونت مزمن HBV، یعنی فاز تحمل ایمنی و فاز ناقل ویروس غیر فعال تغییری در الگوی بیان PD-1 مشاهده نمی‌شود (۱۷، ۱۸).

در یک مطالعه، برای تعیین بیان سطحی PD-1 در کل سلول‌های T^{CD8+} محیطی در طول سیر طبیعی عفونت مزمن HBV، تعداد کل سلول‌های T محیطی ۳۹ بیمار (۹ نفر در فاز تحمل ایمنی، ۱۰ نفر در فاز ناقل ویروس غیر فعال و ۲۰ نفر در مرحله کلیرانس ایمنی) با روش فلوسیتومتری تجزیه و تحلیل شدند. سطح بیان PD-1 در سلول‌های T^{CD8+} در مراحل تحمل ایمنی و حامل ویروس غیر فعال در بیماران مبتلا به عفونت مزمن HBV، تفاوت معناداری با گروه کنترل عادی نداشت. با این حال، سطح بیان PD-1 در مرحله کلیرانس ایمنی بیماران مبتلا به

تحلیل شد و افزایش ۱/۵ برابر بیان ژن PD-1 در اهداکنندگان مبتلا به هپاتیت B فاقد علائم نسبت به افراد سالم نشان داده شد که از نظر آماری معنادار نبود.



نمودار ۱: منحنی ذوب برای ژن هدف PD-1 را نشان می‌دهد که دمای ذوب تمام نمونه‌ها برابر 86 ± 1 می‌باشد و نشانه اختصاصی بودن واکنش Real-Time PCR می‌باشد.



نمودار ۲: منحنی ذوب برای ژن رفرانس را نشان می‌دهد که دمای ذوب تمام نمونه‌ها برابر 88 ± 1 می‌باشد و نشانه اختصاصی بودن واکنش Real-Time PCR است.

بحث

مطالعه‌ها نشان داده بسیاری از پاتوژن‌ها (HIV, HCV و HBV) با تقویت مسیر سیگنالینگ (PD-1)/PD-L1 سبب فرار از سیستم ایمنی میزبان می‌شوند (۱۵-۱۲). در افراد آلوده به عفونت ویروس هپاتیت B، بیان رسپتور PD-1 بر روی هپاتوسیت‌های آلوده به ویروس و PBMCS و به طور خاص بر روی سلول‌های T^{CD8+} اختصاصی ویروس افزایش می‌یابد و موجب خستگی سلول T و پاسخ ضعیف آن‌ها به ویروس می‌شود. هم‌چنین افزایش بیان PD-1 بر

عفونت مزمن HBV، نسبت به افراد سالم و در مراحل تحمل ایمنی و ناقل ویروس غیر فعال بیماران مبتلا به عفونت مزمن HBV به طور قابل توجهی بالاتر بود (۱۷). نتایج فوق با نتایج مطالعه انجام شده موافقت دارد و عدم تغییر الگوی بیان PD-1 در سیر طبیعی عفونت مزمن HBV در ناقل ویروس غیر فعال بدون علامت را نشان می‌دهد. همچنین ارتباط معناداری بین سطح بیان PD-1 با سطح سرمی ALT و AST در مرحله ناقل ویروس غیر فعال و افراد سالم وجود نداشت.

مسیر سیگنالینگ PD-1/PD-L1 نقش منفی در تنظیم فعال شدن و تکثیر سلول‌های T و تولید سیتوکاین‌ها دارد. مطالعه‌ها نشان می‌دهد مسیر PD-1 نقش مهمی در مهار عملکرد سلول‌های T $CD8^+$ اختصاصی ویروس در عفونت‌های ویروسی مزمن شامل ویروس نقص ایمنی انسانی، ویروس هپاتیت C و HBV ایفا می‌کند (۲۴-۱۹). اما مسیر PD-1/PD-L1 در پاسخ سلول‌های T در سیر طبیعی عفونت مزمن HBV نقش متفاوتی ایفا می‌کند و در مرحله‌ای که میزبان از نظر وضعیت ایمنی پایدار می‌باشد و یا ویروس در میزبان غیر فعال است، میزان بیان PD-1 تغییر نمی‌کند و الگوی مشابه افراد سالم را نشان می‌دهد. تعادل پویایی بین تکثیر ویروس و پاسخ ایمنی میزبان برای بیماری‌زایی عفونت مزمن HBV وجود دارد و مسیر PD-1/PD-L1 با تغییر ایمنی ضد ویروسی در مرحله طبیعی عفونت مزمن HBV به طور چشمگیری تغییر می‌کند (۱۶).

در بررسی بیان PD-1 در سلول‌های T $CD8^+$ ویژه آنتی‌ژن اصلی هپاتیت B (HBcAg)، بیماران مبتلا به عفونت مزمن ویروس هپاتیت B در طی مرحله تحمل ایمنی و مرحله کلیرانس ایمنی، در مجموع ۱۰۵ بیمار مبتلا به عفونت مزمن HBV و ۱۵ فرد سالم هم سن وارد مطالعه شدند (۲۸-۱۷). بیماران با توجه به وضعیت آن‌ها در فاز کلیرانس ایمنی ($n=55$) یا فاز تحمل ایمنی ($n=50$) که با بیوپسی کبد مشخص شد، به دو گروه تقسیم شدند. برای بیان PD-1 از فلوسیتومتری استفاده شد. سلول‌های تک هسته‌ای خون محیطی (PBMC) و سلول‌های T $CD8^+$ اختصاصی HBcAg جداسازی شدند (۲۸-۱۷). هم‌چنین، سطوح PD-1 mRNA در PBMC‌ها با استفاده از RT-PCR

اندازه‌گیری شد. سلول‌های T $CD8^+$ در گروه کلیرانس ایمنی نسبت به گروه فاز تحمل ایمنی بیشتر بود، اما بیان PD-1 در سلول‌های T $CD8^+$ اختصاصی HBcAg در گروه فاز کلیرانس ایمنی به طور قابل توجهی کمتر از گروه فاز تحمل ایمنی بود و همبستگی منفی بین فراوانی سلول‌های T $CD8^+$ اختصاصی HBcAg و بیان PD-1، وجود داشت. نتیجه آن که بیان PD-1 با سلول‌های T $CD8^+$ اختصاصی HBV مرتبط بود و نقش مهمی در مهار عملکرد آن‌ها در طول مرحله تحمل ایمنی عفونت مزمن HBV داشت (۲۵).

در مطالعه سوی و همکاران که بر روی بیان مولکول‌های چک پوینت‌های ایمنی بر روی زیر مجموعه‌های سلول $CD4^+$ T در حاملان ویروس هپاتیت B بدون علامت مزمن HBeAg منفی انجام شد، نتایج نشان داد که سطوح mRNA نسبی ژن‌های TIM-3 و CTLA-4 به طور قابل توجهی در PBMC‌ها از ناقلین مزمن بدون علامت HBV، HBeAg منفی (ASCs) در مقایسه با سطوح mRNA کنترل‌های سالم (HC) افزایش یافته است، اما سطوح PD-1 mRNA و LAG-3 تفاوت قابل توجهی بین ASC و HC نداشتند. علاوه بر این، ارتباط معناداری بین این مولکول‌های چک پوینت‌های ایمنی بیان شده روی سلول‌های T $CD4^+$ و سطوح سرمی HBsAg از ASC‌های مزمن با HBeAg منفی وجود نداشت که با نتایج عدم تفاوت معنادار بیان سطوح PD-1 mRNA در دو گروه مورد مطالعه پژوهش حاضر موافقت دارد (۲۶). با توجه به محدودیت بودجه در این تحقیق بررسی بیان ژن PD-1 با استفاده از روش فلوسیتومتری انجام نشد و فقط در سطح mRNA در افراد ناقل غیر فعال فاقد علائم عفونت ویروس هپاتیت B انجام شد که نشان‌دهنده عدم تغییر معنادار بیان PD-1 در مهار عملکرد سلول‌های T در این افراد بود.

نتیجه‌گیری

سطح بیان ژن PD-1 در وضعیت ناقل غیر فعال ویروسی مشابه افراد سالم می‌باشد و فعال شدن و تکثیر سلول‌های T و تولید سیتوکاین‌ها در اهداکنندگان مبتلا به

است.

نقش نویسندگان

دکتر زهره شریفی: طراحی مطالعه، نگارش و ویرایش مقاله، بررسی و تفسیر داده‌ها و نظارت بر انجام آزمایش‌ها
عباس یادگاری: نوشتن پایان‌نامه، انجام آزمایش‌ها، روش‌شناسی و تحلیل و بررسی داده‌ها
زهرآ پاژ: فراهم آوردن مواد مورد نیاز، آموزش روش‌ها و تجهیزات و بررسی و نظارت بر انجام آزمایش‌ها

تشکر و قدردانی

این تحقیق حاصل پایان‌نامه کارشناسی ارشد زیست فناوری مؤسسه عالی آموزشی و پژوهشی انتقال خون ایران است. بدین وسیله از این مؤسسه به خاطر حمایت‌های مالی آن تشکر می‌شود.

هپاتیت B فاقد علائم، تغییری نمی‌کند و افزایش بیان ژن در مرحله‌ای از بیماری که فرد از نظر واکنش ایمنی به ویروس فعال باشد، ایجاد می‌شود.

حمایت مالی

این پروژه توسط مرکز تحقیقات انتقال خون، مؤسسه عالی آموزشی و پژوهشی طب انتقال خون تأمین مالی شده است.

ملاحظات اخلاقی

این مطالعه به تایید کمیته اخلاق مؤسسه عالی آموزشی و پژوهشی طب انتقال خون رسیده است. (کد اخلاق IR.TMI.REC.1397.040).

عدم تعارض منافع

هیچ‌گونه تعارض منافع در مطالعه حاضر وجود نداشته

References:

- Ganem D, Prince AM. Hepatitis B virus infection--natural history and clinical consequences. *N Engl J Med* 2004 ; 350(11): 1118-29.
- Lai CL, Ratziu V, Yuen MF, Poynard T. Viral hepatitis B. *Lancet* 2003; 20; 362(9401): 2089-94.
- Bertoletti A, Maini M, Williams R. Role of hepatitis B virus-specific cytotoxic T cells in liver damage and viral control. *Antiviral Res* 2003; 60(2): 61-6.
- Chisari FV, Ferrari C. Hepatitis B Virus Immunopathogenesis. *Annu Rev Immunol* 1995 13: 29-60.
- Maini MK, Boni C, Ogg GS, King AS, Reignat S, Lee CK, *et al.* Direct ex vivo analysis of hepatitis B virus-specific CD8(+) T cells associated with the control of infection. *Gastroenterology* 1999; 117(6): 1386-96.
- Yuen MF, Chen DS, Dusheiko GM, Janssen HLA, Lau DTY, Locarnini SA, *et al.* Hepatitis B virus infection. *Nat Rev Dis Primers* 2018; 4: 18035.
- Boni C, Fiscaro P, Valdatta C, Amadei B, Di Vincenzo P, Giuberti T, *et al.* Characterization of hepatitis B Virus (HBV)-Specific T-Cell Dysfunction in Chronic HBV Infection. *J Virol* 2007; 81(42): 15-25.
- Ai L, Chen J, Yan H, He Q, Luo P, Xu Z, *et al.* Research status and outlook of pd-1/pd-l1 inhibitors for cancer therapy. *Drug Des Devel Ther* 2020; 14: 3625-49.
- Chen Y, Pei Y, Luo J, Huang Z, Yu J, Meng X. Looking for the optimal PD-1/PD-L1 inhibitor in cancer treatment: A comparison in basic structure, function, and clinical practice. *Front Immunol* 2020; 11:1088.
- Bengsch B, Martin B, Thimme R. Restoration of HBV-specific CD8+ T cell function by PD-1 blockade in inactive carrier patients is linked to T cell differentiation. *J Hepatol* 2014; 61: 1212-9.
- Singh V, Khurana A, Allawadhi P, Banothu AK, Bharani KK, Weiskirchen R. Emerging role of PD-1/PD-L1 inhibitors in chronic liver diseases. *Front Pharmacol* 2021; 12: 790963.
- Wieland S, Thimme R, Purcell RH, Chisari FV. Genomic analysis of the host response to hepatitis B virus infection. *Proc Natl Acad Sci U S A* 2004; 101(17): 6669-74.
- Wykes MN, Lewin SR. Immune checkpoint blockade in infectious diseases. *Nat Rev Immunol* 2018; 18(2): 91-104.
- Cox MA, Nechanitzky R, Mak TW. Check point inhibitors as therapies for infectious diseases. *Curr Opin Immunol* 2017; 48: 61-7.
- Schönrich G, Raftery MJ. The PD-1/PD-L 1axis and virus infections: a delicate balance. *Front Cell Infect Microbiol* 2019; 9: 207.
- Ortega-Prieto AM, Dorner M. Immune Evasion Strategies during Chronic Hepatitis B and C Virus Infection. *Vaccines (Basel)* 2017; 5(3): 24.
- Ye P, Weng ZH, Zhang SL, Zhang JA, Zhao L, Dong JH, *et al.* Programmed death-1 expression is associated with the disease status in hepatitis B virus infection. *World J Gastroenterol* 2008; 14: 4551-7.
- Liang XS, Zhou Y, Li CZ, Wan MB. Natural course of chronic hepatitis B is characterized by changing patterns of programmed death type-1 of CD8-positive

- T cells. *World J Gastroenterol* 2010; 16(5): 618-24.
- 19- Day CL, Kaufmann DE, Kiepiela P, Brown JA, Moodley ES, Reddy S, *et al.* PD-1 expression on HIV-specific T cells is associated with T-cell exhaustion and disease progression. *Nature* 2006; 443: 350-4.
 - 20- Petrovas C, Casazza JP, Brenchley JM, Price DA, Gostick E, Adams WC, *et al.* PD-1 is a regulator of virus-specific CD8+ T cell survival in HIV infection. *J Exp Med* 2006; 203: 2281-92.
 - 21- Zhang JY, Zhang Z, Wang X, Fu JL, Yao J, Jiao Y, *et al.* PD-1 up-regulation is correlated with HIV-specific memory CD8+ T-cell exhaustion in typical progressors but not in long-term nonprogressors. *Blood* 2007; 109: 4671-8.
 - 22- Golden-Mason L, Palmer B, Klarquist J, Mengshol JA, Castelblanco N, Rosen HR. Upregulation of PD-1 expression on circulating and intrahepatic hepatitis C virus-specific CD8+ T cells associated with reversible immune dysfunction. *J Virol* 2007; 81: 9249-58.
 - 23- Urbani S, Amadei B, Tola D, Massari M, Schivazappa S, Missale G, *et al.* PD-1 expression in acute hepatitis C virus (HCV) infection is associated with HCV-specific CD8 exhaustion. *J Virol* 2006; 80: 11398-403.
 - 24- Boni C, Fisicaro P, Valdatta C, Amadei B, Di Vincenzo P, Giuberti T, *et al.* Characterization of hepatitis B virus (HBV)-specific T-cell dysfunction in chronic HBV infection. *J Virol* 2007; 81: 4215-25.
 - 25- Zhou JY, Zhou DF, Li JQ. PD-1 expression in HBcAg-specific CD8+ T cells of adolescents with chronic HBV infection. *Zhonghua Gan Zang Bing Za Zhi* 2013; 21(1): 27-32. [Article in Chinese]
 - 26- Cui D, Jiang D, Yan C, Liu X, Lv Y, Xie J, Chen Y. Immune Checkpoint Molecules Expressed on CD4+ T Cell Subsets in Chronic Asymptomatic Hepatitis B Virus Carriers With Hepatitis B e Antigen-Negative. *Front Microbiol* 2022; 13: 887408.