

نقش مسیر سیگنالینگ Wnt/ β -catenin در لوسمی‌های خونی

مائده قاری^۱، عزت‌اله فتحی^۲، راحله فرحزادی^۳

چکیده

سابقه و هدف

مسیر سیگنالینگ Wnt/ β -catenin، یکی از آبشارهای کلیدی مهم در تنظیم سیر تکاملی و پایداری سلول‌های ایمنی و خون است، اما نقش دقیق آن هنوز بحث برانگیز و موضوع پژوهش‌های مختلفی است. با فعال شدن مسیر سیگنالینگ Wnt، پروتئین β -catenin به داخل هسته وارد شده و رونویسی ژن‌های هدف شامل cyclin D1 و c-myc را فعال می‌کند. مسیر سیگنالینگ Wnt/ β -catenin کانونیکال در سرطان‌های خونی به طور غیرعادی فعال است، بنابراین به عنوان یک هدف بالقوه جهت درمان سرطان مورد بررسی قرار گرفته است. در این مقاله اهمیت مسیر سیگنالینگ Wnt و تأثیر این مسیر در ایجاد لوسمی‌های خونی توضیح داده شده است.

مواد و روش‌ها

این مقاله مروری با جمع‌آوری اطلاعات از طریق جستجو در پایگاه‌های اطلاعاتی مدلاین و پاب مد و با استفاده از کلمات کلیدی مسیر سیگنالینگ Wnt، لوسمی میلوئیدی حاد و مزمن و لوسمی لنفوبلاستی حاد و مزمن انجام شده است. از میان مراجع مرتبط، مواردی که مؤلفین مجرب در آن نقش داشته و بارها مورد استناد قرار گرفته بودند، انتخاب شدند.

یافته‌ها

بررسی مقاله‌های مختلف نشان داد که مسیر سیگنالینگ Wnt/ β -catenin (کانونیکال و غیر کانونیکال) در مراحل خاصی در پاتوزن انواع بدخیمی‌های هماتولوژیک دخالت دارد.

نتیجه‌گیری

از آن جایی که مسیر سیگنالینگ Wnt/ β -catenin نقش مهمی در خونسازی طبیعی و بدخیم شدن سلول‌ها در سیستم خونسازی دارد، بدیهی است این تغییرات در سیگنالینگ Wnt/ β -catenin فرصت‌های مداخله درمانی را ایجاد می‌کند، به ویژه به این دلیل که سطح فعالیت این مسیر در بدخیمی‌های هماتولوژیک در مقایسه با سایر مسیرهای سیگنالینگ به طور قابل توجهی افزایش یافته است.

کلمات کلیدی: مسیر سیگنالینگ Wnt، لوسمی میلوئیدی مزمن (CML)، لوسمی میلوئیدی حاد (AML)، لوسمی لنفوبلاستی حاد (ALL)، لوسمی لنفوبلاستی مزمن (CLL)

تاریخ دریافت: ۹۶/۹/۴

تاریخ پذیرش: ۹۶/۱۱/۱۰

- ۱- دکترای حرفه‌ای دامپزشکی - دانشکده دامپزشکی دانشگاه تبریز - تبریز - ایران
- ۲- مؤلف مسئول: متخصص کلینیکال پاتولوژی دامپزشکی - دانشیار گروه علوم درمانگاهی دانشکده دامپزشکی دانشگاه تبریز - تبریز - روبروی شهرک خاوران - ایران - کد پستی: ۵۱۶۶۱۶۴۷۱
- ۳- متخصص بیوشیمی بالینی - استادیار مرکز تحقیقات هماتولوژی و انکولوژی دانشگاه علوم پزشکی تبریز - تبریز - ایران

مقدمه

تولید سلول های خونی یا هماتوپوئز توسط جمعیت نادری از سلول های چند قوه ای که در مغز استخوان بالغ وجود دارند، صورت گرفته و مسئول تولید مداوم سلول های خونی در طول حیات فرد هستند (۱). این سلول ها، تحت عنوان سلول های بنیادی خونساز (HSCs: Hematopoietic stem cells) شناخته شده و منشأ همه سلول های خونی، از جمله پلاکت ها، اریتروسیت ها و لکوسیت ها می باشند.

اخیراً وجود سیگنالینگ Wnt (Wingless-Int) به عنوان یک فاکتور خود نوسازی در خونسازی مورد بررسی قرار گرفته است (۲). در سلول های بنیادی روده، پوست و سایر اندام های بدن، مسیر سیگنالینگ Wnt نقش مهمی در خود نوسازی سلول های بنیادی خونساز ایفا می کند، هر چند چگونگی نقش آن تا حدی بحث برانگیز است (۳، ۴).

مسیر سیگنالینگ Wnt علاوه بر نقش مهم آن در خونسازی طبیعی، می تواند در بدخیم شدن سلول ها در سیستم خونساز نیز دخالت داشته باشد (۵، ۴). در مطالعه های بسیاری به نقش این مسیر در سایر بدخیمی ها از جمله سرطان سینه و سرطان روده بزرگ هم اشاره شده است، به این صورت که فعال شدن مسیر سیگنالینگ Wnt و افزایش بیان پروتئین های آن می تواند از عوامل پاتوژن این بیماری ها باشد (۶-۱۱).

اخیراً نقش مسیر سیگنالینگ Wnt در خونسازی طبیعی و تولید لنفوسیت ها در برخی مطالعه ها به طور گسترده ای پوشش داده شده است (۱۳، ۱۲، ۵)؛ بنابراین در این مقاله هدف بررسی نقش مسیر سیگنالینگ Wnt در لوسمی های مختلف بوده و فقط به نقش این مسیر در توسعه سلول های طبیعی پرداخته شده است.

مواد و روش ها

این مقاله نوعی مطالعه مروری است که در آن جمع آوری اطلاعات از طریق جستجو در پایگاه های اطلاعاتی مدلاین و پاب مد، محدود به زبان انگلیسی، بدون محدودیت زمان و با استفاده از کلمات کلیدی مسیر سیگنالینگ Wnt، لوسمی میلوئیدی حاد و مزمن و لوسمی

لنفوئیدی حاد و مزمن صورت گرفته است. جهت انتخاب مستندات مورد استفاده، ابتدا عناوین یافت شده توسط موتور جستجو از نظر ارتباط موضوعی بررسی شدند. از بین مراجع و مقاله های مرتبط، آن دسته مقاله هایی که توسط مؤلفین مجرب و صاحب نام منتشر شده و بارها مورد استناد قرار گرفته بوده و کامل تر بودند، به عنوان منابع استنادی انتخاب گردیدند. پس از بررسی عنوان مقالات، در مرحله بعد از نظر ارتباط چکیده با هدف مورد ارزیابی قرار گرفتند. موارد منتخب که حدود ۱۰۰ مقاله بود به طور کامل مطالعه و نهایی شدند. از مستندات منتخب فیش برداری شد. هم چنین مطالب جمع آوری شده، تقسیم بندی، خلاصه سازی و گردآوری شدند.

بحث**مسیر سیگنالینگ Wnt/ β -catenin:**

مسیر سیگنالینگ Wnt نقش بسیار مهمی در رشد جنین، تمایز، تکثیر و بقای سلول های بنیادی خونساز دارد (۱۵)، (۱۴). این مسیر یک شبکه پیچیده، همراه با مکانیسم های تنظیمی مثبت و منفی را ارائه می کند (۱۶). هم چنین تعداد زیادی از پروتئین های Wnt را بیان می کند که از طریق آن ها مسیرهای سلولی متفاوت، از جمله مسیرهای کانونی و غیر کانونی Wnt فعال می شوند (۱۷). پروتئین های Wnt اساساً بتا کاتین سیتوپلاسمی را تثبیت می کنند که دو عملکرد مهم را بر عهده دارد: عنصری مهم در بسیاری از مسیرهای داخل سلولی مثل مسیر Wnt است و هم چنین در تشکیل اتصالات چسبنده داخل سلولی نیز دخالت دارد (۱۵).

به طور خلاصه، آشکار سیگنالینگ Wnt اغلب به دو مسیر کانونی یا Wnt/ β -catenin و مسیرهای غیر کانونی تفکیک می شود (۲۰-۱۸). در غیاب لیگاندهای Wnt، سطح سیتوپلاسمی بتاکاتین از طریق فعالیت یک مجتمع پروتئینی (به اصطلاح مجتمع تخریب) بسیار پایین نگه داشته می شود، این مجتمع به طور فعال بتا کاتین را برای تخریب مورد هدف قرار می دهد. این مجموعه شامل دو کیناز کنترل منفی است، از جمله گلیکوژن سنتاز کیناز (Glycogen synthase kinase 3: GSK-3 β) و حداقل دو پروتئین انکور (anchor) که علاوه بر این به عنوان

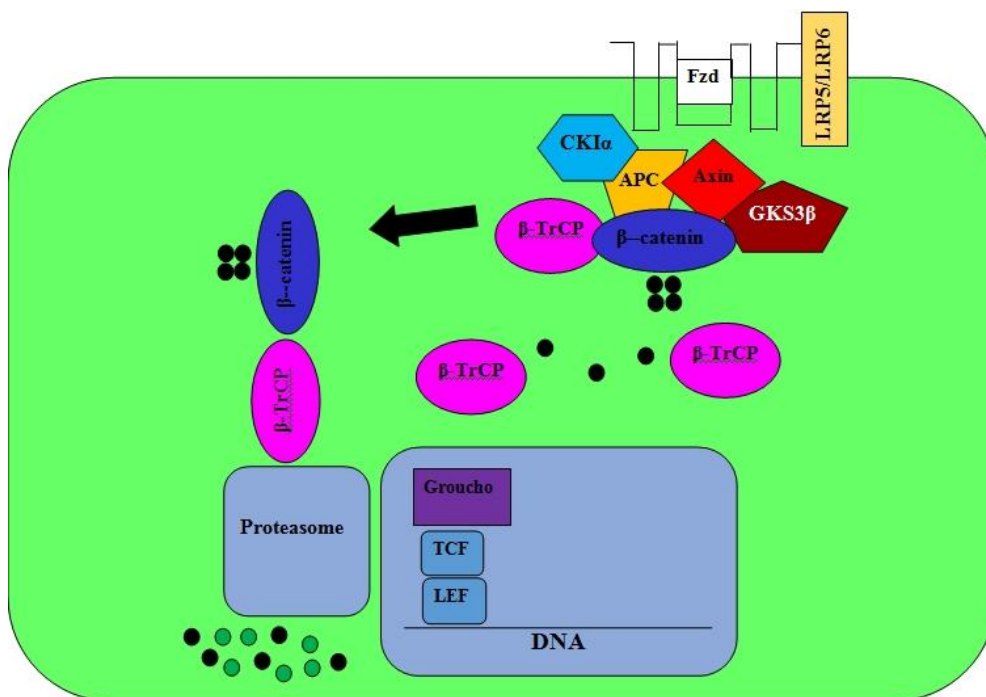
انجام می‌شود که گلیکوپروتئین‌های ترشحی هستند و به عنوان لیگاند برای گیرنده‌های غشایی متعلق به پروتئین‌های خانواده *frizzled(fzd)* و *Lipoprotein receptor-5*، *۶*، *۵* related protein عمل می‌کنند (۲۴).

فعال‌سازی این مسیر منجر به فعال‌سازی پروتئین *disheveled (Dvl)* و در نتیجه تجزیه مجتمع تخریب و هم چنین اجازه برای تولید بتاکاتنین دفسفریله و مهاجرت آن به هسته می‌شود. در هسته، بتاکاتنین به اعضای خانواده فاکتور رونویسی *TCF/LEF* متصل می‌شود و آن‌ها را از موانع رونویسی به فعال‌کننده‌های رونویسی تبدیل می‌کند (۲۷-۲۵). در پایان این مسیر بتاکاتنین به *pontin52* متصل می‌شود. *TATA-binding protein* متصل شده و ژن مربوط به *groucho* یا رسپتورهای مشترک *CREB-binding protein* را از *LEF/TCF* جدا کرده و منجر به تحریک ترجمه ژن‌های مهم تنظیم‌کننده رشد شامل *c-Myc* و *cyclin D1* می‌شود (۲۷، ۱۵) (شکل ۲).

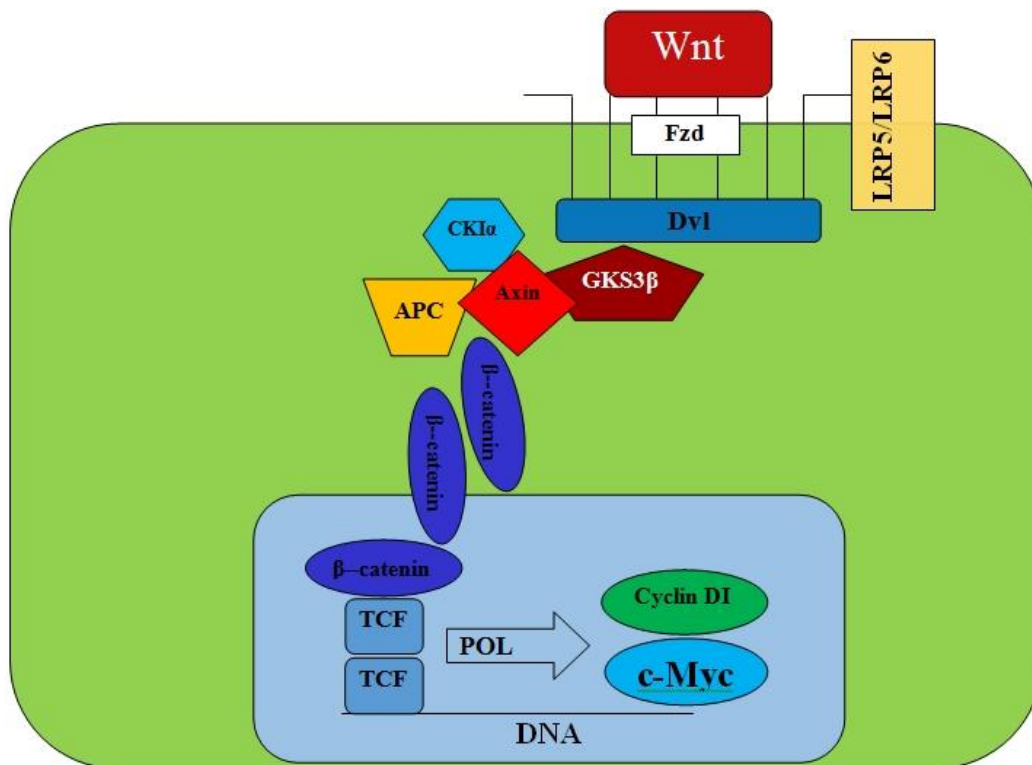
پروتئین‌های سرکوب کننده تومور نیز عمل می‌کنند، مثل *Axin1* یا *Axin2* و *APC* (*Adenomatous polyposis coli*).

APC و *Axin* به عنوان تنظیم‌کننده‌های منفی مسیر هستند که کاتنین را در سیتوپلاسم نگه می‌دارند (۲۱). در غیاب سیگنال‌های فعال‌سازی، فسفریلاسیون بتاکاتنین توسط *GSK-3β* همراه با *APC* و *Axin* انجام می‌شود و منجر به تداخل بتاکاتنین با *β-Trcp* (*β-transducin repeat-containing protein*) شده و سرانجام، سبب تخریب و از بین رفتن آن می‌شود؛ بنابراین مقدار کمی بتاکاتنین به هسته می‌رسد (۲۲). در اینجا فاکتور رونویسی خانواده *TCF/LEF* به همراه سایر پروتئین‌ها مثل *groucho* به *DNA* متصل می‌شوند و بیان ژن را مهار می‌کنند. *TCF / LEF* یک زیر گروه از عوامل رونویسی با تحریک بالا هستند که می‌توانند بسته به کمپلکسی که آن‌ها را تشکیل می‌دهد، به عنوان مهارکننده یا فعال‌کننده رونویسی عمل کنند (۲۳، ۱۵) (شکل ۱).

فعال‌سازی مسیر سیگنالینگ توسط پروتئین‌های *Wnt*



شکل ۱: مسیر غیر فعال *Wnt*. در غیاب لیگاندهای *Wnt*، بتاکاتنین به یک کمپلکس تخریب حاوی *APC*، *AXIN* و *GSK3β* متصل می‌شود. کمپلکس تخریب بتاکاتنین را فسفریله می‌کند و منجر به تخریب آن توسط پروتئازوم می‌شود (۲۸).



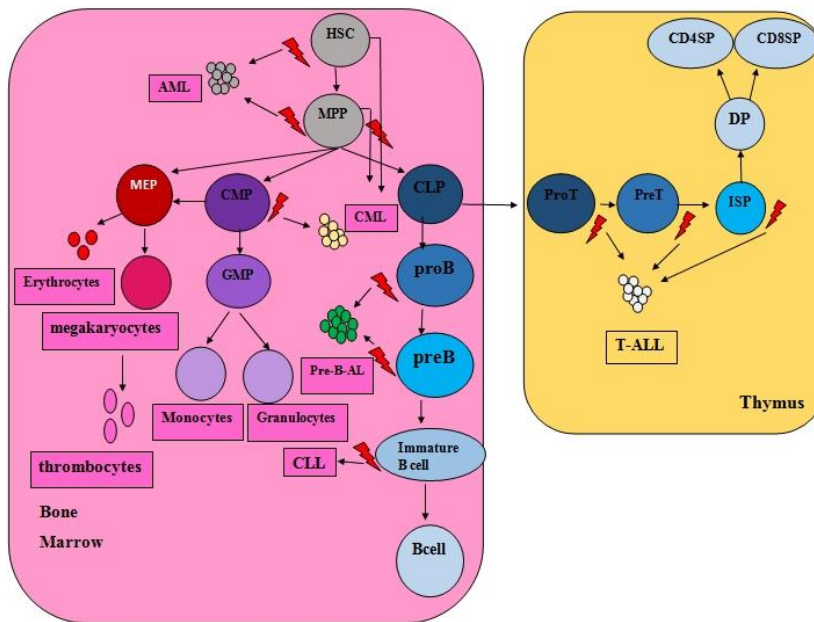
شکل ۲: مسیر فعال Wnt. در حضور لیگاندهای Wnt، این لیگاندها به گیرنده FZD و پروتئین LRP5/6 متصل می‌شود. کمپلکس تخریب غیر فعال شده و سپس بتاکاتنین می‌تواند تثبیت شود و به هسته منتقل گردد. افزایش بتاکاتنین هسته با رونویسی از ژن‌های هدف و اعضای خانواده فاکتور (TCF / LEF-1) همراه است (۲۸).

بدخیمی‌های خونی:

در حال حاضر محققان در زمینه بدخیمی‌های خونی به دنبال کشف نقش دقیق سیگنالینگ Wnt در پاتوژنز این بیماری‌ها هستند. پیش از بحث در مورد نقش بالقوه سیگنال‌های Wnt در لوسمی‌ها، باید توجه داشته باشیم که انواع سرطان‌های خون در مکان‌های آناتومیک مختلف به وجود می‌آیند، مانند مغز استخوان که به نظر می‌رسد منشأ تمامی لوسمی‌های حاد و مزمن است، در مقابل تیموس که منشأ لوسمی حاد لنفوبلاستی سلول‌های T می‌باشد. کلیه این بدخیمی‌ها از سلول‌های پیش‌ساز متفاوت یا HSC ها متمایز می‌شوند (شکل ۳).

هر دو محیط (مغز استخوان و تیموس) و سلول‌های آن‌ها (سلول‌های بنیادی، سلول‌های پس/پیش سلول B، پلازما سل، سلول T نابالغ) تا حد زیادی تحت تأثیر

سیگنالینگ Wnt در این سلول‌ها قرار می‌گیرند. فعل و انفعالاتی در سلول‌های پیش‌ساز بین سیگنال‌های خارج سلولی مانند تولید پروتئین Wnt و آنتاگونیست‌های آن در ترکیب با بیان اجزای داخل سلولی مانند فاکتورهای TCF/LEF و مهارکننده‌های داخل سلولی، مانند ICAT، وجود دارد که تعیین می‌کنند چگونه سطوح معمول و کنترل شده سیگنال Wnt می‌تواند تعادل را به سمت تغییرات بدخیم پیش ببرد (۲۹). تعامل با سایر مسیرهای سیگنالینگ و انکوژن‌ها، نوع و شکل بدخیمی لوسمی‌های مختلف را مشخص می‌کند؛ بنابراین ممکن است تجزیه و تحلیل دقیق سلول‌های لوسمی و بررسی عوامل محیطی، نقش دقیق سیگنالینگ Wnt در ایجاد انواع لوسمی‌ها را روشن کند، از آن جهت در این مقاله به بررسی هر کدام از زیر مجموعه‌های لوسمی‌ها پرداخته شده است.



شکل ۳: سیر پیشرفت لوسمی در انسان. روند تولید تمام رده‌های سلول‌های خونی شامل رده اریتروئیدی، مونوسیتی، گرانولوسیتی و مگاکاریوسیتی ترسیم شده است. در صورت بروز هرگونه اشکال در روند تولید این سلول‌ها بسته به مرحله خاصی که دچار مشکل می‌شود احتمال یک نوع لوسمی خاص وجود دارد که در شکل مشخص است (۳۱، ۳۰).

لوسمی میلوئیدی حاد (AML):

نشان داد که پروتئین‌های ترکیبی AML مثل AML1-ETO و PML-RAR α و PLZF-RAR α به طور خاص گاما کاتنتین را فعال می‌کنند (به عنوان پلاکوگلوبین هم شناخته می‌شود) که همولوگ بتا کاتنتین است و منجر به افزایش مجتمع plakoglobin-LEF و پس از آن افزایش فعالیت سیگنالینگ Wnt می‌شود (۳۲، ۳۳). هم چنین در نمونه‌های اولیه AML بیان نابه‌جای بتا کاتنتین دیده شده است، که با سطوح افزایش یافته سیگنالینگ Wnt در ارتباط است (۳۴). به نظر می‌رسد در بلاست‌های AML افزایش بیان گاما کاتنتین با بتا کاتنتین مرتبط است (۳۵).

جالب توجه است که بیان نابه‌جای گاما کاتنتین در سلول‌های AML تثبیت‌کننده بتا کاتنتین است (۳۵). تثبیت بتا کاتنتین می‌تواند به این دلیل باشد که گاما کاتنتین در کمپلکس تخریب Wnt کم‌تر تحت تأثیر قرار می‌گیرد؛ بنابراین ممکن است سطوح بالای گاما کاتنتین به وسیله اشغال مجتمع تخریب، مانع انجام وظیفه آن مبنی بر کاهش بتا کاتنتین شود، در نتیجه سطوح بالای بتا کاتنتین ایجاد می‌شود.

لوسمی میلوئیدی حاد با نام‌های دیگری نیز خوانده می‌شود: لوسمی میلووسیتی حاد، لوسمی میلوژنیک حاد، لوسمی گرانولوسیتی حاد و لوسمی غیر لنفوسیتی حاد. حاد به این معنی است که اگر درمانی برای این لوسمی صورت نگیرد، می‌تواند به سرعت پیشرفت کند و احتمالاً کشنده باشد. واژه میلوئید هم به گونه سلول‌هایی که در طی این بیماری دچار تغییر می‌شوند، یعنی سلول‌های رده مونوسیتی / گرانولوسیتی، اشاره می‌کند.

امروزه به خوبی مشخص شده است که AML یک بدخیمی کلونال است که از HSCs و یا سلول‌های نابالغ رده میلوئیدی سرچشمه می‌گیرد (۳۰). در AML جابه‌جایی‌های کروموزومی که باعث ایجاد پروتئین‌های غیرطبیعی می‌گردد، به وفور دیده می‌شود. هم چنین جهش‌ها، حذف قسمت‌هایی از کروموزوم و کاریوتیپ غیر طبیعی هم دیده شده که همه این‌ها باعث شده‌اند این بیماری دلایل مولکولی متفاوتی داشته باشد. اولین مطالعه‌ای که نقشی را برای Wnt در AML توصیف کرد،

مطالعه های بسیاری نشان می دهد که غیر فعال سازی اپی ژنیک مهارکننده های مسیر Wnt به وسیله متیلاسیون جزایر CpG، مکانیسم دیگری را برای فعالیت مشاهده شده مسیر Wnt در سلول های لوسمیک AML فراهم می کند. طی تحقیقات صورت گرفته نشان داده شده است که متیلاسیون آنتاگونیست های Wnt مثل SFRP-1، 3، 4 و Dickkopf-related protein 1 (Secreted frizzled related protein 4,3,1) مسئول فعال سازی مسیر Wnt در سلول های AML بوده و با پیش آگهی ضعیف بیماری همراه هستند (۳۶، ۳۷).

دیگر آنتاگونیست طبیعی مسیر کانونیکال Wnt، پروتئین Wnt5a است. این پروتئین مسیر غیر کانونیکال Wnt را فعال می کند و در موش هایی که برای Wnt5a هموزیگوس هستند، لوسمی میلوئیدی ایجاد می کند (۳۸). هم چنین به نظر می رسد در نمونه های انسانی پروتئین Wnt5a به عنوان یک متوقف کننده تومور عمل می کند. در سلول های طبیعی B، سلول های میلوئیدی و سلول های $CD34^+$ مغز استخوان، نسخه رونوشت Wnt5a به راحتی قابل تشخیص است. تجزیه و تحلیل چندین مورد لوسمی لنفوبلاستی حاد (ALLs) نشان می دهد که در نمونه های B-ALL و AML، سطوح Wnt5a به میزان قابل توجهی کاهش یافته و یا کاملاً حذف شده است (۳۸).

یک مکانیسم احتمالی برای کاهش سطوح Wnt5a در سلول های AML وجود دارد به نام متیلاسیون پیش رونده Wnt5a، که با نتایج مطالعه روی تنظیمات اپی ژنیک Wnt5a در لوسمی سلول های NK/T مشابه است. مارتین و همکاران بیان می کنند که متیلاسیون Wnt5a با کاهش بیان آن در ارتباط است و یک عامل برای پیش آگهی ضعیف در بیماران مبتلا به AML می باشد (۳۹).

مطالعه های گوناگون نشان می دهد که عدم حضور بتاکاتین می تواند از وقوع AML جلوگیری کند (۴۰). اولین رویداد انکوژنیک، باعث القای دگرگونی سلول ها می شود سپس سلول های پیش لوسمی تولید می شوند و این سلول ها برای تولید بیشتر و گسترش خود به سیگنالینگ کنترل نشده Wnt نیاز دارند. در نمونه های بالینی نشان داده شده است که فعال شدن

جهش ها در FLT3 (افزایش آن را در ۳۰٪ بیماران AML داریم) با مقادیر بالای بتاکاتین مرتبط است (۴۱). بیان همه بتاکاتین و به خصوص بتاکاتین غیر فسفریله هسته، با درصد زنده مانی بسیار پایین بیماران AML همبستگی دارد (۴۲، ۳۴). مطالعه ها نشان می دهند که اگر چه بتاکاتین غیر فسفریله می تواند در سلول های لوسمیک تمام زیرگروه های AML یافت شود، اما بیشتر در زیرگروه های M6 و M7 (سیستم نام گذاری FAB) وجود دارد. از این رو بتاکاتین غیر فسفریله هسته به ترتیب در لوسمی اریترئیدی و مگاکاریوسیتی بیشتر از سایر انواع لوسمی ها یافت می شود (M6 و M7 در مقایسه با M0-M5). مطالعه های اخیر که بر پایه منحنی بیان ژن است، اشاره می کند که بیماران مبتلا به AML را می توان بر اساس سیگنال های Wnt طبقه بندی کرد که این طبقه بندی از لحاظ پیش آگهی بیماری حائز اهمیت است (۴۳). علاوه بر این، محققین به نقش بسیار مهم برای سیگنالینگ Wnt در آغاز بیماری AML اشاره می کنند. بهاتیا و همکارانش با استفاده از موش هایی که دارای کمبود کنترل منفی $GSK3\beta$ هستند (هم چنین همولوگ آن $GSK3\alpha$) نشان دادند که این موش ها دارای سیگنالینگ بالای Wnt در HSCs می باشند و یک سندرم میلودیسپلاستیک در آن ها مشابه انسان ایجاد می شود، که به عنوان یک مرحله پیش ساز برای AML شناخته شده است (۴۴، ۳۱).

یک نظریه جالب دیگر این است که فقط تغییرات خود مختار سلول های سیستم خونساز یا سلول های بنیادی سرطانی موجب تغییرات بدخیم نمی شود، بلکه اختلال در تنظیمات نیچه توسط سلول های تغییر یافته خونساز که ممکن است باعث افزایش بیان Wnt شوند، نیز در ایجاد لوسمی ها دخالت دارد (۴۶، ۴۵).

در خاتمه، به نظر می رسد که سیگنالینگ فعال Wnt نقش مهمی را در انتشار/تسریع AML بازی می کند و نشان داده شده است که یک رویداد ثانویه انکوژنی مهم در مدل های موشی مبتلا به AML جهت تبدیل سلول های Pre-LSCs به سلول های LSCs محسوب می شود. فرضیات ارائه شده توسط دانشمندان نشان می دهد، مهارکننده های مولکول های مسیر Wnt که تعامل بین

۸۰٪ مابقی ALL ایجاد می‌شود (۵۴). از آن جا که CML و CLL از منشأهای متفاوتی ایجاد می‌شوند، نشان می‌دهد که سلول‌های مختلف در سیستم خونی در طی تمایزشان به مقادیر مختلف سیگنالینگ Wnt نیاز دارند (۲۹). این مسئله بیان می‌کند که تولید سلول‌های رده میلوئیدی نسبت به سلول‌های B، بیشتر به سیگنالینگ Wnt وابسته هستند. هم چنین سطوح نسبتاً بالایی از سیگنالینگ Wnt در پیش‌سازهای طبیعی میلوئیدی نسبت به لنفوسیت‌های B که در آن‌ها تقریباً صفر است، یافت می‌شود (۲۶). علاوه بر این مطالعه‌ای که اخیراً روی موش‌های دارای کمبود Tcf و Lef انجام شده، نشان می‌دهد که سلول‌های بنیادی لوکمیک در CML برای شروع و انتشار بیماری به این فاکتورها وابسته‌اند (۵۵).

احتمال دیگری که وجود دارد، دخالت مسیر غیر کانونیکال مسیر سیگنالینگ Wnt در پاتوژنز CML و ALL است که اخیراً توسط گریگوری و همکارانش بیان شده است (۵۶). آن‌ها در پژوهش خود برای نشان دادن مقاومت CML به مهارکننده‌های تیروزین کیناز (TKI)، اهمیت مسیر $Wnt/Ca^{2+}/NFAT$ (مسیر غیر کانونیکال Wnt) در سلول‌های مقاوم CML و به‌خصوص نقش Fzd8 را نشان دادند. به نظر می‌رسد سلول‌های مقاوم CML برای بقای خود به بیان Fzd8 وابسته هستند. گفته می‌شود که این تأثیر به وسیله سیتوکاین‌هایی که تولید Wnt5a را القا می‌کنند، ایجاد می‌شود.

توضیح دیگر برای بقای سلول‌های توموری CML در مقابل مهارکننده تیروزین کیناز (Tyrosine-kinase inhibitor: TKI)، بقای انتخابی سلول‌های بنیادی لوکمیک (LSCs) در طی درمان می‌باشد (۵۷). اختلال در بقای سلول‌های LSCs در مدل موشی مبتلا به CML به همراه کاهش سطوح فعالیت بتاکانتین مشاهده شده است که به نقش سیگنالینگ کانونیکال Wnt در بقای TLI و عود CML اشاره می‌کند. شواهد دیگری در مطالعه هیدل و همکاران نشان می‌دهد که بتاکانتین برای زنده ماندن و بقای LSCs در CML ضروری است (۵۸). آن‌ها نشان دادند که داروهایی که مسیر بتاکانتین همراه با مهارکننده‌های تیروزین کیناز (TKI) را هدف قرار می‌دهند،

بتاکانتین و LEF1 را مهار می‌کنند، به طور انتخابی باعث القای مرگ سلول‌های AML و بلاست‌های اولیه AML می‌شوند، بر اساس این فرضیات فرصت‌های درمانی جدیدی کشف شده که نشان می‌دهند مهارکننده‌های مولکول‌های مسیر Wnt که تعامل بین بتا کانتین و LEF1 را مهار می‌کنند، به طور انتخابی باعث القای مرگ سلول‌های AML و بلاست‌های اولیه AML می‌شوند (۴۷). محققان نقش مهار Wnt در درمان AML را بیان کرده و پیشنهاد می‌کنند که درمان هدفمند سلول‌های بنیادی لوسمیک در AML ممکن است امکان‌پذیر باشد (۴۸، ۴۹).

لوسمی میلوئیدی مزمن (CML):

لوسمی میلوئیدی مزمن یک بیماری میلوپرولیفراتیو است که ۱۵ تا ۲۰ درصد انواع لوسمی‌های بالغین را شامل می‌شود (۵۰). این بیماری در اثر ناهنجاری ژنتیکی از نوع جابه‌جایی کروموزومی بین ژن *bcr* (کروموزوم ۲۲) و ژن *abl* (کروموزوم ۹) در سلول‌های خونساز مغز استخوان ایجاد و منجر به کوتاه شدن کروموزوم ۲۲ می‌شود (کروموزوم فیладельیا) (۲۷). نتیجه این جابه‌جایی تلفیق ژن‌های بیان‌کننده ABL تیروزین کیناز و BCR و تولید پروتئین BCR-ABL است. این پروتئین دارای فعالیت تیروزین کینازی است و سبب گسترش رده میلوئیدی می‌گردد (۵۲، ۵۱).

بیان پروتئین BCR-ABL در اوایل بیماری آغاز می‌شود و نشان داده شده است که با سطوح بالای کانتین فعال در فاز بلاستیک بیماری در ارتباط است (۵۳). BCR-ABL به طور فیزیکی با بتاکانتین تعامل دارد که منجر به پایداری و افزایش ماندگاری آن در هسته می‌شود (۵۴). این پروتئین تنها در CML دیده نمی‌شود بلکه در ۳۰-۲۰ درصد از موارد ALL نیز مشاهده می‌شود که با پیش‌آگهی ضعیف همراه است.

در حالت طبیعی، سلول‌های بیان‌کننده BCR-ABL سبب ایجاد نسبت یک چهارم ALL/CLL در موش‌ها می‌شوند، اما وقتی از سلول‌های بیان‌کننده BCR-ABL فاقد بتاکانتین استفاده می‌کنیم، این نسبت معکوس می‌شود، به صورتی که فقط در ۲۰٪ موش‌ها CML و در

می توانند سلول های LSCs را در CML از بین برده و ریشه کن کنند.

در نهایت، از آن جا که پروتئین BCR-ABL می تواند به صورت فعال سطوح بتا کاتنین در سلول ها را تنظیم کند، بیشترین مسیری که در CML تحت تأثیر قرار می گیرد، مسیر کانونیکال Wnt است. همان طور که مطالعه های اخیر نشان می دهد، ممکن است در سلول های CML مقاوم به TKI، مسیر غیر کانونیکال Wnt زمانی که مکانیسم کنترلی BCR-ABL مهار شده است، وارد عمل شود؛ بنابراین درمان های جدید نباید تنها با هدف تأثیر روی مسیر کانونیکال Wnt باشند بلکه باید اثرات افزون مسیر غیر کانونیکال را نیز در نظر بگیرند. تمام این درمان ها باید همراه با مهارکننده های تیروزین کیناز که BCR-ABL را هدف قرار می دهند، باشند (۲۷).

لوسمی لنفوبلاستی حاد لنفوسیت های B (B-ALL):

لوسمی لنفوبلاستی حاد (ALL) یک بیماری پیش رونده است که لنفوسیت های نابالغ، بیشتر پیش سازهای لنفوسیت B (۸۰٪) و هم چنین سلول های T (۲۰٪) را درگیر می کند. اهمیت مسیر Wnt در تولید سلول های طبیعی B در دو حالت مختلف نشان داده شده است؛ موش های فاقد Lef1 یا Fzd9، اختلال در تولید سلول های B به همراه کاهش شدید تعداد آن ها را نشان می دهند (۵۹، ۶۰). اولین نقش برای سیگنالینگ Wnt در دوره پیش B-ALL توسط مدل موش هایی که E2A-PBX را بیان می کردند، بیان شد. این سلول های پیش B-ALL، Wnt16 را تولید می کنند و تصور بر این است که این محصول اتوکراین Wnt16 در پیشرفت سلول های پیش B-ALL دخالت دارد (۶۱). جالب توجه است که فقط لوسمی های پیش B-ALL دچار جابه جایی کروموزومی ۱ و ۱۹ می شوند که در نتیجه پروتئین ترکیبی E2A-Pbx1 تولید و Wnt16 بیان می شود. این موضوع بیانگر آن است که Wnt16 یک قسمت از ژن هدف پروتئین E2A-Pbx1 است (۶۱). این یافته ها توسط دیگران و همکارانش تأیید نشد (۶۳، ۶۲). آن ها بیان کردند که نوسان Wnt16، بقا و یا تکثیر سلول را متأثر نمی کند، در صورتی که آن ها ثابت کردند مقادیر زیادی بتا کاتنین در

غشاء سلول و در کنار N — کادهرین وجود دارد و هم چنین پیشنهاد کردند که در واکنش لوسمی — استروما، سطوح بالای Wnt16 و بتا کاتنین نقش بیشتری نسبت به سیگنالینگ بالای مسیر کانونیکال Wnt داشته اند. یک مسیر کامل Wnt در سلول های B-ALL وجود دارد، در واقع مهار سیگنال های ریسپتور سلول B، می تواند موجب از بین رفتن سیگنال Wnt و بقای لاین سلولی پیش B-ALL شود (۶۴).

لوسمی لنفوسیتی مزمن (CLL):

لوسمی لنفوسیتی مزمن با افزایش بقا و انباشتگی سلول های B CD19⁺ و CD5⁺ معیوب و بالغ مشخص می شود. اگر چه این بیماری پیشرفت کندی دارد ولی در نهایت سلول های سرطانی بدخیم غالب می شوند و باعث کاهش تعداد پلاکت ها و اریتروسیت ها و هم چنین کاهش تعداد سلول های T همراه با علائم بالینی مرتبط مثل خونریزی داخلی و عفونت ها می شوند.

این گونه تصور می شود که بقای نابه جای این سلول ها با مکانیسم هایی ایجاد می شود که از آپوپتوز آن ها جلوگیری می کنند. به طور قابل ملاحظه Wnt3 به صورت انتخابی در سلول های CLL بسیار بیشتر از سایر بدخیمی های سلول B (لنفوما ی سلول های B بزرگ منتشر یا DLBCL و لنفوما ی فولیکولار) و سلول های طبیعی B و T، بیان می شود (۶۵، ۶۶). از آن جا که Wnt3a باعث تکثیر سلول های پیش B از طریق یک مکانیسم وابسته به Lef1 می شود، می توان گفت که سلول های B در CLL از مکانیسم مشابه در پاتوژنز CLL استفاده می کنند. در واقع، سطوح بالای Lef1 (RNA و پروتئین) در سلول های CLL یافت می شود در صورتی که در سلول های B طبیعی وجود ندارند. سلول های CLL نسبت به سلول های طبیعی B علاوه بر Lef1 و Wnt3، افزایش بیان پروتئین های دیگر Wnt از جمله Wnt5b، Wnt6، Wnt10a، Wnt14، Wnt16 را هم نشان می دهند (۶۶). مطالعه های دیگر بیان کرده اند که فعال سازی نابه جای مسیر سیگنالینگ کانونیکال Wnt برای پاتوژنسیته CLL مهم و قطعی است. اول از هر چیز، اضافه کردن یک مهارکننده خاص LEF- β catenin با

T-ALL بسیار تأکید شده، به این صورت که اکثر مدل‌های موشی که وقوع لوسمی را در غیاب Ikaros، E2a و یا Tcf نشان می‌دهند، با ایجاد جهش در Notch1 همراه‌اند (۷۸). هر چند این جهش‌ها رویداد شروع‌کننده لوسمی نبودند، اما احتمال جهش‌های بیشتر در Notch1 بسیار زیاد است و موجب تسریع در ایجاد لنفوما می‌شود. در بیش از ۵۰٪ نمونه‌های T-ALL انسانی فعال شدن جهش‌های ژن Notch1 دیده شده است (۷۶). از آن جا که اخیراً Tcf-1 به عنوان ژن هدف Notch1 گزارش شده است، به نظر می‌رسد جهش‌های Tcf-1 می‌توانند به عنوان رویداد ثانویه بعد از جهش آغازین Notch1 در بیماران T-ALL اتفاق افتند (۷۹). در مطالعه‌ها روی موش‌های T-ALL، محققین به طور خاص پروتئین‌های حیاتی مسیر Wnt و یا Notch1 (اشکال غیر قابل تجزیه بتاکاتنین و یا بیان Notch1 داخل سلولی (ICN)) را overexpressed کردند (۸۲-۸۰). این مطالعه‌ها نشان می‌دهند که فعال شدن پیوسته هر کدام از مسیرهای Wnt یا Notch، منجر به پیشرفت لوسمی‌های تهاجمی می‌شود (۸۲-۸۰). جالب است که در مطالعه گو و همکاران که از فرم فعال بتاکاتنین استفاده کردند، وقوع لوسمی بدون جهش در Notch1 گزارش شد (۸۰). از آن جا که در سایر مطالعه‌ها جهش‌های Notch1 بارها گزارش شده‌اند، این مشاهده قابل توجه است، همان طور که مطالعه‌های بیماران انسانی نیز وقوع T-ALL را همراه با افزایش سطوح Wnt و بدون جهش در Notch1، نشان می‌دهد (۸۳). نتایج نشان داد که سیگنالینگ نابه‌جای Wnt ممکن است فقط یک جهش اضافی در سلول‌های پیش لوسمی نباشد، بلکه همانند سیگنالینگ Notch، یک رخداد آغازین برای لوسمی باشد. دو مطالعه اخیر که به طور واضح نقش Tcf1 در مهار پیشرفت T-ALL را بیان کردند بسیار جالب هستند و نشان دادند که موش‌های دارای کمبود Tcf1 به شدت نسبت به ایجاد لوسمی حساس می‌باشند (۸۵، ۸۴). لوسمی‌های مشاهده شده یک الگوی هتروژن داشتند که انتظار می‌رود کمبود Tcf1 منجر به بلاک‌های ناقص و متوالی سلول T در آن‌ها شود (۸۴). افزایش بیان Lef1 در این لوسمی‌ها قابل توجه است (۸۵). هر دو مطالعه نشان

حفظ سلول‌های سالم، سبب ایجاد آپوپتوز در CLL می‌شود (۶۵). دوماً مطالعه‌های بسیاری از طریق متیلاسیون آنتاگونیست‌های Wnt، تنظیم اپی‌ژنتیک مسیر Wnt در CLL را نشان دادند (۶۹-۶۷). تغییر دادن تنظیمات منفی مسیر Wnt از طریق متیلاسیون آنتاگونیست‌ها برای sFRP1، sFRP4، sFRP5، sFRP2 و WIF1، DKK3 سلول‌های اولیه CLL نشان داده شده است.

چنین به نظر می‌رسد که مسیر سیگنالینگ فعال Wnt در CLL توسط حداقل دو مکانیسم کنترل می‌شود. اول، تولید و ترشح پروتئین‌های Wnt همراه با بیان گیرنده‌های Wnt (مثل FZD3 و LRP5/6) که یک حلقه اتوکترین را ایجاد می‌کند. دوم، متیلاسیون آنتاگونیست‌های Wnt، با این توضیح که افزایش متیلاسیون آنتاگونیست‌های موجود در نمونه‌های اولیه CLL، موجب افزایش فعالیت Wnt در سلول‌های CLL خواهد شد.

اخیراً مفهوم جدیدی توسط گوتیرز و همکارانش مطرح شده که در آن بیان نموده‌اند چنانچه سطوح بالای LEF1 در سلول‌های CLL با وضعیت تمایزی سلول‌ها مرتبط باشد، شیف‌ت سلول‌های CLL می‌تواند پیشرفت بیماری را تحت تأثیر قرار دهد (۷۰). در واقع آن‌ها با القای تمایز بیشتر سلول‌های CLL به سلول‌های ترشح‌کننده ایمنوگلوبولین و با استفاده از TLR9 آگونیست CPG، اختلال در بقای سلول و کاهش فعالیت Wnt در سلول‌های لوکمیک را نشان دادند. در نهایت باید گفت که سطوح Wnt5a با زیرگروه‌های خطرناک‌تری از CLL همراه است. Wnt5a به سلول‌های CLL اجازه می‌دهد تا از سیگنال‌های مهاری که به صورت طبیعی در محیط مغز استخوان وجود دارد، فرار کنند (۷۱).

لوسمی لنفوبلاستی حاد لنفوسیت‌های T (T-ALL):

سلول‌های لوکمیک در لوسمی لنفوبلاستی سلول‌های T، با افزایش رشد لنفوسیت‌های T در تیموس مشخص می‌شوند. از این رو مسیرهای دخیل در افزایش سلول‌های T در T-ALL معمولاً دچار اختلال می‌شوند، همان طور که در مطالعه‌ها، برای مسیر سیگنالینگ Wnt و Notch بیان شده است (۷۷-۷۲). اهمیت حیاتی Notch1 در پیشرفت

جدول ۱: انواع لوسمی های خون و مکانیسم های دخیل در مسیر Wnt

مکانیسم احتمالی	لوسمی های خونی	منابع
ترشح پروتئین های Wnt به وسیله سلول های توموری و یا محیط	AML	سلول های تومور Wnt 10A ، Wnt 6 ، Wnt2B و Wnt10B ها را تولید می کنند. افزایش بیان ژن های APC و Axin کاهش بیان ژن های c-Jun و TCF/Lef سلول های تومور با سنتز و ترشح لیگاند های Wnt سبب افزایش سطوح بتا کاتنین دفسفریله می شوند.
	CML	سلول های بنیادی مزانشیمی مغز استخوان انسان Wnt6 ، Wnt16 ، Wn1 ، Wnt2B ، Wnt3 ، Wnt5a ، Wnt5B و Wnt8b ها را ترشح می کنند.
	B-ALL	سلول های تومور Wnt16b ترشح می کنند.
	ALL	افزایش بیان ژن های درگیر در مسیر کانونیکال Wnt از قبیل بتا کاتنین، Dvl-2 و Tcf-4
	T-ALL	افزایش بیان ژن های Wnt2 و Wnt6
پاسخ دهی سلول های تومور به سیگنالینگ Wnt	CLL	سلول های تومور Wnt3a ، Wnt14 ، Wnt10A ، Wnt6 ، Wnt5B و Wnt16 را بیان می کنند.
	CML	سلول های مقاوم به TKI دارای بیان بالای Fzd8 هستند
تغییرات اپی ژنتیک (متیلاسیون نابه جای آنتاگونیست های Wnt یا Wnt5a)	CLL	سلول های تومور Fzd3 ، LRP5/LRP6 و Ror1 را بیان می کنند.
	AML	متیلاسیون 4,3,sFRP-1 و DKK1 یا Wnt5a
	B-ALL	متیلاسیون DKK3
	T-ALL	متیلاسیون نامناسب Wnt5a
فعال شدن جهش ها در بتا کاتنین و یا غیر فعال شدن جهش ها در APC و Axin	CLL	متیلاسیون 4,2,sFRP-1، DKK3، Wif1 و 5
	AML و ALL	غیر فعال سازی جهش های Axin1 و APC
	T-ALL	فعال سازی جهش های بتا کاتنین، کاهش فعالیت سرکوب کنندگی TCF7
تعادل فاکتورهای TCF/LEF در سلول های توموری	AML	سطوح بالای LEF
	CML	فاکتورهای Tcf / Lef به طور مثبت ABCB1 را تنظیم می کنند
	B-ALL	عدم تعادل سطوح Tcf و Lef در سلول های تومور
	T-ALL	سطوح بالای Lef ؛ Tcf1 ژن سرکوب کننده تومور است
	CLL	سطوح بالای LEF

می دهند که Tcf1 به طور طبیعی به عنوان مهار کننده سطوح پروتئین Lef1 در تیموس است. به محض حذف Tcf1، سطوح پروتئین Lef1 از حالت طبیعی خارج شده و

سطوح افزایش یافته و غیرطبیعی آن حاصل می شود و سلول های تیموس را مستعد سرطانی شدن می کند. سؤالی که مطرح است این است که این اثر سرطان زایی Lef1

موقعیت سلول‌های آغازکننده لوسمی در محیط خود (نیچه)، سیگنالینگ Wnt نقش‌های مختلفی را در تولید لوسمی بازی می‌کند. به نظر می‌رسد حداقل پنج مکانیسم متفاوت در سیگنالینگ ناقص Wnt در لوسمی‌ها وجود دارد. اول، سطوح نامناسب پروتئین Wnt (و/یا آنتاگونیست Wnt) که از سلول‌های توموری و/یا محیطشان ترشح شده و به وفور به عنوان یک فیدبک اتوکرینی سلول‌های توموری گزارش شده است. دوم، حساسیت سلول‌های تومور به پروتئین Wnt (و آنتاگونیست‌ها) ممکن است تغییر کند (مثلاً تغییر در بیان Ror، Fzd، یا LRP). برای مکانیسم سوم، تغییرات اپیژنتیک در بسیاری از انواع لوسمی‌ها گزارش شده است. متیلاسیون آنتاگونیست‌های Wnt (در نتیجه تداخل با عملکرد مهارکنندگی آن‌ها) و پروموتور Wnt5a (که منجر به سطح پایین Wnt5a، که به عنوان مهارکننده تومور عمل می‌کند) مشاهده شده است. چهارم، فعال‌سازی جهش در بتاکاتین یا غیرفعال کردن جهش در APC یا axin در ALL شرح داده شده است، شبیه به فعال‌سازی جهش‌های شناخته شده در کارسینومای کولون؛ و پنجم، به نظر می‌رسد تعادل فاکتورهای Tcf/Lef در یک سلول توموری، عامل تعیین‌کننده‌ای است که آیا سیگنال Wnt از بین می‌رود یا خیر. بدیهی است این تغییرات در سیگنالینگ Wnt فرصت‌های مداخله درمانی را ایجاد می‌کند، به ویژه به این دلیل که سطح سیگنال Wnt در بدخیمی‌های هماتولوژیک به طور قابل توجهی نسبت به همتایان خود افزایش یافته است.

در غیاب Tcf1، یک فرآیند با دخالت Wnt است یا خیر؟ تایمسن و همکاران افزایش فعالیت سیگنالینگ Wnt در تومورهای دارای کمبود Tcf1 را نشان دادند (۸۴). از آن جا که یو و همکاران نتوانستند این موضوع را تایید کنند، این امکان وجود دارد که سطوح بالای Lef1 با یک مسیر دیگر غیر وابسته به Wnt، باعث بروز لوسمی می‌شود (۸۵). به طور کلی پژوهش‌های مهم اخیر اشاره می‌کنند که سلول‌های بنیادی T-ALL مشابه سلول‌های AML، به شدت به سیگنالینگ Wnt وابسته هستند (۸۶). خلاصه‌ای از انواع لوسمی‌های خون و مکانیسم‌های دخیل در مسیر Wnt در جدول ۱ آورده شده است.

نتیجه‌گیری

به نظر می‌رسد در پاتوژنسیته همه بدخیمی‌های هماتولوژیک مورد بحث در این مقاله، سیگنالینگ Wnt (کانونیکال و غیر کانونیکال) در مرحله خاصی دخالت دارد. حداقل دو مرحله مختلف وجود دارد که در آن اختلال در تنظیم سیگنالینگ Wnt نقش مهمی در پیشرفت لوسمی دارد. اول، در مرحله شروع بیماری، افزایش سیگنال Wnt می‌تواند عامل مهمی در پیشرفت از مرحله پیش LSC به LSC (به عنوان مثال برای AML) باشد و همین طور که اخیراً برای T-ALL کشف شده است، فقدان فاکتور Wnt هسته Tcf1، به توسعه T-ALL منجر می‌شود. دوم در پیشرفت بیماری، همان طور که برای CML توصیف شد، سیگنالینگ نابه‌جای Wnt دارای اهمیت است. از این رو، بسته به وضعیت تمایز سلول و یا

References:

- Orkin SH, Zon LI. Hematopoiesis: an evolving paradigm for stem cell biology. *Cell* 2008; 132(4): 631-44.
- Lento W, Congdon K, Voermans C, Kritzik M, Reya T. Wnt signaling in normal and malignant hematopoiesis. *Cold Spring Harb Perspect Biol* 2013; 5(2): pii: a008011.
- Staal FJ, Chhatta A, Mikkers H. Caught in a Wnt storm: Complexities of Wnt signaling in hematopoiesis. *Exp Hematol* 2016; 44(6): 451-7.
- Luis TC, Ichii M, Brugman MH, Kincade P, Staal FJ. Wnt signaling strength regulates normal hematopoiesis and its deregulation is involved in leukemia development. *Leukemia* 2012; 26(3): 414-21.
- Malhotra S, Kincade PW. Wnt-related molecules and signaling pathway equilibrium in hematopoiesis. *Cell Stem Cell* 2009; 4(1): 27-36.
- Khan Z, Arafah M, Shaik J, Mahale A, Alanazi M. High-frequency deregulated expression of Wnt signaling pathway members in breast carcinomas. *OncoTargets Ther* 2018; 11(35): 323-35.
- Tan Z, Zheng H, Liu X, Zhang W, Zhu J, Wu G, et al. MicroRNA-1229 overexpression promotes cell proliferation and tumorigenicity and activates Wnt/beta - catenin signaling in breast cancer.

- Oncotarget 2016; 7(17): 24076-87.
- 8- Zhou D, Tang W, Wang W, Pan X, An HX, Zhang Y. Association between aberrant APC promoter methylation and breast cancer pathogenesis: a meta-analysis of 35 observational studies. *Peer J* 2016; 4: e2203.
 - 9- Slattery M, Mullany L, Sakoda L, S. Samowitz W, K. Wolff R, Stevens J, *et al.* Expression of wnt-signaling pathway genes and their associations with miRNAs in colorectal cancer. *Modern Pathol* 2017; 30(8): 1152-69.
 - 10- Liu H, Zhou Y, Tan F, Wang Y, Pei H. Expression of regulatory factor R-spondin family in Wnt signaling pathway in colorectal cancer and its clinical significance. *Journal of Central South University. Med Sci* 2017; 42(5): 501-6.
 - 11- Dhaya B. Targeting the interaction of Aurora kinases and SIRT1 mediated by Wnt signaling pathway in colorectal cancer: A critical review. *Biomed Pharmacother* 2016; 82: 413-24.
 - 12- Staal FJ, Luis TC, Tiemessen MM. WNT signalling in the immune system: WNT is spreading its wings. *Nat Rev Immunol* 2008; 8(8): 581-93.
 - 13- Staal FJ, Sen JM. The canonical Wnt signaling pathway plays an important role in lymphopoiesis and hematopoiesis. *Eur J Immunol* 2008; 38(7): 1788-94.
 - 14- MacDonald BT, Tamai K, He X. Wnt/ β -catenin signaling: components, mechanisms, and diseases. *Dev Cell* 2009; 17(1): 9-26.
 - 15- Wilusz M, Majka M. Role of the Wnt/ β -catenin network in regulating hematopoiesis. *Arch Immunol Ther Exp (Warsz)* 2008; 56(4): 257-66.
 - 16- Filipovich A, Gehrke I, Poll-Wolbeck SJ, Kreuzer KA. Physiological inhibitors of Wnt signaling. *Eur J Haematol* 2011; 86(6): 453-65.
 - 17- Nelson WJ, Nusse R. Convergence of Wnt, β -catenin, and cadherin pathways. *Science* 2004; 303(5663): 1483-7.
 - 18- Gholizadeh-Ghaleh Aziz S, Fathi E, Rahmati-Yamchi M, Akbarzadeh A, Fardiyazar Z, Pashaiasl M. An update clinical application of amniotic fluid-derived stem cells (AFSCs) in cancer cell therapy and tissue engineering. *Artif Cells Nanomed Biotechnol* 2017; 45(4): 765-74.
 - 19- Fathi E, Farahzadi R, Charoudeh HN. L-carnitine contributes to enhancement of neurogenesis from mesenchymal stem cells through Wnt/ β -catenin and PKA pathway. *Exp Biol Med (Maywood)* 2017; 242(5): 482-6.
 - 20- Fathi E, Farahzadi R. Enhancement of osteogenic differentiation of rat adipose tissue-derived mesenchymal stem cells by zinc sulphate under electromagnetic field via the PKA, ERK1/2 and Wnt/ β -catenin signaling pathways. *PLoS One* 2017; 12(3): e0173877.
 - 21- Sampson EM, Haque ZK, Ku MC, Tevosian SG, Albanese C, Pestell RG, *et al.* Negative regulation of the Wnt- β -catenin pathway by the transcriptional repressor HBP1. *EMBO J* 2001; 20(16): 4500-11.
 - 22- Hankey W, L. Frankel W, Groden J. Functions of the APC tumor suppressor protein dependent and independent of canonical WNT signaling: implications for therapeutic targeting. *Cancer Metastasis Rev* 2018; 37(1): 159-72.
 - 23- Morgan R, Ankrah R, El-Tanani S, Loadman P, Patterson L, Rudland P, *et al.* Wnt Signaling as a Therapeutic Target in Cancer and Metastasis. *Introduction to Cancer Metastasis. Chapter 20*; 2017. p. 375-94.
 - 24- Sakanaka C, Sun TQ, Williams LT. New steps in the Wnt/ β -catenin signal transduction pathway. *Recent Prog Horm Res* 2000; 55: 225-36.
 - 25- Novak A, Dedhar S. Signaling through β -catenin and Lef/Tcf. *Cell Mol Life Sci* 1999; 56(5-6): 523-37.
 - 26- Porfiri E, Rubinfeld B, Albert I, Hovanes K, Waterman M, Polakis P. Induction of a β -catenin-LEF-1 complex by wnt-1 and transforming mutants of β -catenin. *Oncogene* 1997; 15(23): 2833-9.
 - 27- Staal FJ, Famili F, Garcia Perez L, Pike-Overzet K. Aberrant Wnt Signaling in Leukemia. *Cancers (Basel)* 2016; 8(9): 78-92.
 - 28- Zhan T, Rindtorff N, Boutros M. Wnt signaling in cancer. *Oncogene* 2017; 36: 1461-73.
 - 29- Luis TC, Naber BA, Roozen PP, Brugman MH, de Haas EF, Ghazvini M, *et al.* Canonical wnt signaling regulates hematopoiesis in a dosage-dependent fashion. *Cell Stem Cell* 2011; 9(4): 345-56.
 - 30- Lowenberg B, Downing JR, Burnett A. Acute myeloid leukemia. *N Engl J Med* 1999; 341(14): 1051-62.
 - 31- Müller-Tidow C, Steffen B, Cauvet T, Tickenbrock L, Ji P, Diederichs S, *et al.* Translocation products in acute myeloid leukemia activate the Wnt signaling pathway in hematopoietic cells. *Mol Cell Biol* 2004; 24(7): 2890-904.
 - 32- Corces-Zimmerman MR, Majeti R. Pre-leukemic evolution of hematopoietic stem cells: the importance of early mutations in leukemogenesis. *Leukemia* 2014; 28(12): 2276-82.
 - 33- Zheng X, Beissert T, Kukoc-Zivojnov N, Puccetti E, Altschmied J, Stolz C, *et al.* Gamma-catenin contributes to leukemogenesis induced by AML-associated translocation products by increasing the self-renewal of very primitive progenitor cells. *Blood* 2004; 103(9): 3535-43.
 - 34- Ysebaert L, Chicanne G, Demur C, De Toni F, Prade-Houdellier N, Ruidavets JB, *et al.* Expression of β -catenin by acute myeloid leukemia cells predicts enhanced clonogenic capacities and poor prognosis. *Leukemia* 2006; 20(7): 1211-6.
 - 35- Morgan RG, Pearn L, Liddiard K, Pumford SL, Burnett AK, Tonks A, *et al.* gamma-Catenin is overexpressed in acute myeloid leukemia and promotes the stabilization and nuclear localization of β -catenin. *Leukemia* 2013; 27(2): 336-43.
 - 36- Griffiths EA, Gore SD, Hooker C, McDevitt MA, Karp JE, Smith BD, *et al.* Acute myeloid leukemia is characterized by Wnt pathway inhibitor promoter hypermethylation. *Leuk Lymphoma* 2010; 51(9): 1711-9.
 - 37- Ying J, Li H, Chen YW, Srivastava G, Gao Z, Tao Q. WNT5A is epigenetically silenced in hematologic malignancies and inhibits leukemia cell growth as a tumor suppressor. *Blood* 2007; 110(12): 4130-2.
 - 38- Liang H, Chen Q, Coles AH, Anderson SJ, Pihan G,

- Bradley A, *et al.* Wnt5a inhibits B cell proliferation and functions as a tumor suppressor in hematopoietic tissue. *Cancer Cell* 2003; 4(5): 349-60.
- 39- Martin V, Valencia A, Agirre X, Cervera J, San Jose-Eneriz E, Vilas-Zornoza A, *et al.* Epigenetic regulation of the non-canonical Wnt pathway in acute myeloid leukemia. *Cancer Sci* 2010; 101(2): 425-32.
- 40- Wang Y, Krivtsov AV, Sinha AU, North TE, Goessling W, Feng Z, *et al.* The Wnt/beta-catenin pathway is required for the development of leukemia stem cells in AML. *Science* 2010; 327(5973): 1650-3.
- 41- Tickenbrock L, Schwable J, Wiedehage M, Steffen B, Sargin B, Choudhary C, *et al.* Flt3 tandem duplication mutations cooperate with Wnt signaling in leukemic signal transduction. *Blood* 2005; 105(9): 3699-706.
- 42- Xu J, Suzuki M, Niwa Y, Hiraga J, Nagasaka T, Ito M, *et al.* Clinical significance of nuclear non-phosphorylated beta-catenin in acute myeloid leukaemia and myelodysplastic syndrome. *Br J Haematol* 2008; 140(4): 394-401.
- 43- Taskesen E, Staal FJ, Reinders MJ. An integrated approach of gene expression and DNA-methylation profiles of WNT signaling genes uncovers novel prognostic markers in acute myeloid leukemia. *BMC Bioinformatics* 2015; 16 Suppl 4: S4.
- 44- Guezguez B, Almakadi M, Benoit YD, Shapovalova Z, Rahmig S, Fiebig-Comyn A, *et al.* GSK3 Deficiencies in Hematopoietic Stem Cells Initiate Pre-neoplastic State that Is Predictive of Clinical Outcomes of Human Acute Leukemia. *Cancer Cell* 2016; 29(1): 61-74.
- 45- Majeti R, Becker MW, Tian Q, Lee TL, Yan X, Liu R, *et al.* Dysregulated gene expression networks in human acute myelogenous leukemia stem cells. *Proc Natl Acad Sci U S A* 2009; 106(9): 3396-401.
- 46- Beghini A, Corlazzoli F, Del Giacco L, Re M, Lazzaroni F, Brioschi M, *et al.* Regeneration-associated WNT signaling is activated in long-term reconstituting AC133bright acute myeloid leukemia cells. *Neoplasia* 2012; 14(12): 1236-48.
- 47- Minke KS, Staib P, Puetter A, Gehrke I, Gandhirajan RK, Schlosser A, *et al.* Small molecule inhibitors of WNT signaling effectively induce apoptosis in acute myeloid leukemia cells. *Eur J Haematol* 2009; 82(3): 165-75.
- 48- Fiskus W, Sharma S, Saha S, Shah B, Devaraj SG, Sun B, *et al.* Pre-clinical efficacy of combined therapy with novel beta-catenin antagonist BC2059 and histone deacetylase inhibitor against AML cells. *Leukemia* 2015; 29(6): 1267-78.
- 49- Heidel FH, Arreba-Tutusa P, Armstrong SA, Fischer T. Evolutionarily conserved signaling pathways: acting in the shadows of acute myelogenous leukemia's genetic diversity. *Clin Cancer Res* 2015; 21(2): 240-8.
- 50- Thanendrarajan S, Kim Y, Schmidt-Wolf IG. Understanding and Targeting the Wnt/beta-Catenin Signaling Pathway in Chronic Leukemia. *Leuk Res Treatment* 2011; 2011: 329572.
- 51- Weerkamp F, Dekking E, Ng YY, van der Velden VH, Wai H, Bottcher S, *et al.* Flow cytometric immunobead assay for the detection of BCR-ABL fusion proteins in leukemia patients. *Leukemia* 2009; 23(6): 1106-17.
- 52- Nowicki MO, Pawlowski P, Fischer T, Hess G, Pawlowski T, Skorski T. Chronic myelogenous leukemia molecular signature. *Oncogene* 2003; 22(25): 3952-63.
- 53- Jamieson CH, Ailles LE, Dylla SJ, Muijtjens M, Jones C, Zehnder JL, *et al.* Granulocyte-macrophage progenitors as candidate leukemic stem cells in blast-crisis CML. *N Engl J Med* 2004; 351(7): 657-67.
- 54- Zhao C, Blum J, Chen A, Kwon HY, Jung SH, Cook JM, *et al.* Loss of beta-catenin impairs the renewal of normal and CML stem cells *in vivo*. *Cancer Cell* 2007; 12(6): 528-41.
- 55- Yu S, Li F, Xing S, Zhao T, Peng W, Xue HH. Hematopoietic and Leukemic Stem Cells Have Distinct Dependence on Tcf1 and Lef1 Transcription Factors. *J Biol Chem* 2016; 291(21): 11148-60.
- 56- Gregory MA, Phang TL, Neviani P, Alvarez-Calderon F, Eide CA, O'Hare T, *et al.* Wnt/Ca2+/NFAT signaling maintains survival of Ph+ leukemia cells upon inhibition of Bcr-Abl. *Cancer Cell* 2010; 18(1): 74-87.
- 57- Hu Y, Li S. Survival regulation of leukemia stem cells. *Cell Mol Life Sci* 2016; 73(5): 1039-50.
- 58- Heidel FH, Bullinger L, Feng Z, Wang Z, Neff TA, Stein L, *et al.* Genetic and pharmacologic inhibition of beta-catenin targets imatinib-resistant leukemia stem cells in CML. *Cell Stem Cell* 2012; 10(4): 412-24.
- 59- Reya T, O'Riordan M, Okamura R, Devaney E, Willert K, Nusse R, *et al.* Wnt signaling regulates B lymphocyte proliferation through a LEF-1 dependent mechanism. *Immunity* 2000; 13(1): 15-24.
- 60- Ranheim EA, Kwan HC, Reya T, Wang YK, Weissman IL, Francke U. Frizzled 9 knock-out mice have abnormal B-cell development. *Blood* 2005; 105(6): 2487-94.
- 61- McWhirter JR, Neuteboom ST, Wancewicz EV, Monia BP, Downing JR, Murre C. Oncogenic homeodomain transcription factor E2A-Pbx1 activates a novel WNT gene in pre-B acute lymphoblastoid leukemia. *Proc Natl Acad Sci U S A* 1999; 96(20): 11464-9.
- 62- Nygren MK, Dosen G, Hystad ME, Stubberud H, Funderud S, Rian E. Wnt3A activates canonical Wnt signalling in acute lymphoblastic leukaemia (ALL) cells and inhibits the proliferation of B-ALL cell lines. *Br J Haematol* 2007; 136(3): 400-13.
- 63- Nygren MK, Dosen-Dahl G, Stubberud H, Walchli S, Munthe E, Rian E. beta-catenin is involved in N-cadherin-dependent adhesion, but not in canonical Wnt signaling in E2A-PBX1-positive B acute lymphoblastic leukemia cells. *Exp Hematol* 2009; 37(2): 225-33.
- 64- Saba NS, Angelova M, Lobelle-Rich PA, Levy LS. Disruption of pre-B-cell receptor signaling jams the WNT/beta-catenin pathway and induces cell death in B-cell acute lymphoblastic leukemia cell lines. *Leuk Res* 2015; pii: S0145-2126(15)30355-6.
- 65- Gandhirajan RK, Staib PA, Minke K, Gehrke I, Plickert G, Schlosser A, *et al.* Small molecule inhibitors of Wnt/beta-catenin/lef-1 signaling induces

- apoptosis in chronic lymphocytic leukemia cells *in vitro* and *in vivo*. *Neoplasia* 2010; 12(4): 326-35.
- 66- Lu D, Zhao Y, Tawatao R, Cottam HB, Sen M, Leoni LM, *et al.* Activation of the Wnt signaling pathway in chronic lymphocytic leukemia. *Proc Natl Acad Sci U S A* 2004; 101(9): 3118-23.
 - 67- Chim CS, Fung TK, Wong KF, Lau JS, Liang R. Infrequent Wnt inhibitory factor-1 (Wif-1) methylation in chronic lymphocytic leukemia. *Leuk Res* 2006; 30(9): 1135-9.
 - 68- Chim CS, Pang R, Fung TK, Choi CL, Liang R. Epigenetic dysregulation of Wnt signaling pathway in multiple myeloma. *Leukemia* 2007; 21(12): 2527-36.
 - 69- Liu R, Wang L, Chen C, Liu Y, Zhou P, Wang Y, *et al.* Laforin negatively regulates cell cycle progression through glycogen synthase kinase 3 β -dependent mechanisms. *Mol Cell Biol* 2008; 28(23): 7236-44.
 - 70- Gutierrez NC, Ocio EM, de Las Rivas J, Maiso P, Delgado M, Ferminan E, *et al.* Gene expression profiling of B lymphocytes and plasma cells from Waldenstrom's macroglobulinemia: comparison with expression patterns of the same cell counterparts from chronic lymphocytic leukemia, multiple myeloma and normal individuals. *Leukemia* 2007; 21(3): 541-9.
 - 71- Janovska P, Poppova L, Plevova K, Plesingerova H, Behal M, Kaucka M, *et al.* Autocrine Signaling by Wnt-5a Deregulates Chemotaxis of Leukemic Cells and Predicts Clinical Outcome in Chronic Lymphocytic Leukemia. *Clin Cancer Res* 2016; 22(2): 459-69.
 - 72- Izon DJ, Punt JA, Pear WS. Deciphering the role of Notch signaling in lymphopoiesis. *Curr Opin Immunol* 2002; 14(2): 192-9.
 - 73- Jenkinson EJ, Jenkinson WE, Rossi SW, Anderson G. The thymus and T-cell commitment: the right niche for Notch? *Nat Rev Immunol* 2006; 6(7): 551-5.
 - 74- Lee SY, Kumano K, Masuda S, Hangaishi A, Takita J, Nakazaki K, *et al.* Mutations of the Notch1 gene in T-cell acute lymphoblastic leukemia: analysis in adults and children. *Leukemia* 2005; 19(10): 1841-3.
 - 75- Weerkamp F, van Dongen JJ, Staal FJ. Notch and Wnt signaling in T-lymphocyte development and acute lymphoblastic leukemia. *Leukemia* 2006; 20(7): 1197-205.
 - 76- Weng AP, Ferrando AA, Lee W, Morris JPt, Silverman LB, Sanchez-Irizarry C, *et al.* Activating mutations of NOTCH1 in human T cell acute lymphoblastic leukemia. *Science* 2004; 306(5694): 269-71.
 - 77- Weng AP, Millholland JM, Yashiro-Ohtani Y, Arcangeli ML, Lau A, Wai C, *et al.* c-Myc is an important direct target of Notch1 in T-cell acute lymphoblastic leukemia/lymphoma. *Genes Dev* 2006; 20(15): 2096-109.
 - 78- Yokota T, Kanakura Y. Genetic abnormalities associated with acute lymphoblastic leukemia. *Cancer Sci* 2016; 107(6): 721-5.
 - 79- Weber BN, Chi AW, Chavez A, Yashiro-Ohtani Y, Yang Q, Shestova O, *et al.* A critical role for TCF-1 in T-lineage specification and differentiation. *Nature* 2011; 476(7358): 63-8.
 - 80- Guo Z, Dose M, Kovalovsky D, Chang R, O'Neil J, Look AT, *et al.* Beta-catenin stabilization stalls the transition from double-positive to single-positive stage and predisposes thymocytes to malignant transformation. *Blood* 2007; 109(12): 5463-72.
 - 81- Palomero T, Lim WK, Odom DT, Sulis ML, Real PJ, Margolin A, *et al.* NOTCH1 directly regulates c-MYC and activates a feed-forward-loop transcriptional network promoting leukemic cell growth. *Proc Natl Acad Sci U S A* 2006; 103(48): 18261-6.
 - 82- Allman D, Karnell FG, Punt JA, Bakkour S, Xu L, Myung P, *et al.* Separation of Notch1 promoted lineage commitment and expansion/transformation in developing T cells. *J Exp Med* 2001; 194(1): 99-106.
 - 83- Ng OH, Erbilgin Y, Firtina S, Celkan T, Karakas Z, Aydogan G, *et al.* Deregulated WNT signaling in childhood T-cell acute lymphoblastic leukemia. *Blood Cancer J* 2014; 4: e192.
 - 84- Tiemessen MM, Baert MR, Schonewille T, Brugman MH, Famili F, Salvatori DC, *et al.* The nuclear effector of Wnt-signaling, Tcf1, functions as a T-cell-specific tumor suppressor for development of lymphomas. *PLoS Biol* 2012; 10(11): e1001430.
 - 85- Yu S, Zhou X, Steinke FC, Liu C, Chen SC, Zagorodna O, *et al.* The TCF-1 and LEF-1 transcription factors have cooperative and opposing roles in T cell development and malignancy. *Immunity* 2012; 37(5): 813-26.
 - 86- Giambra V, Jenkins CE, Lam SH, Hoofd C, Belmonte M, Wang X, *et al.* Leukemia stem cells in T-ALL require active Hif1 α and Wnt signaling. *Blood* 2015; 125(25): 3917-27.
 - 87- Kaneta Y, Kagami Y, Tsunoda T, Ohno R, Nakamura Y, Katagiri T. Genome-wide analysis of gene-expression profiles in chronic myeloid leukemia cells using a cDNA microarray. *Int J Oncol* 2003; 23(3): 681-91.
 - 88- Schurch C, Riether C, Matter MS, Tzankov A, Ochsenbein AF. CD27 signaling on chronic myelogenous leukemia stem cells activates Wnt target genes and promotes disease progression. *J Clin Invest* 2012; 122(2): 624-38.
 - 89- Mazieres J, You L, He B, Xu Z, Lee AY, Mikami I, *et al.* Inhibition of Wnt16 in human acute lymphoblastoid leukemia cells containing the t(1;19) translocation induces apoptosis. *Oncogene* 2005; 24(34): 5396-400.
 - 90- Rosenwald A, Alizadeh AA, Widhopf G, Simon R, Davis RE, Yu X, *et al.* Relation of gene expression phenotype to immunoglobulin mutation genotype in B cell chronic lymphocytic leukemia. *J Exp Med* 2001; 194(11): 1639-47.
 - 91- Melo N, Hobday C, Dowsett M, Catovsky D, Matutes E, Morilla R, *et al.* Oestrogen receptor (ER) analysis in B-cell chronic lymphocytic leukemia: correlation of biochemical and immunocytochemical methods. *Leuk Res* 1990; 14(11-12): 949-52.
 - 92- Roman-Gomez J, Cordeu L, Agirre X, Jimenez-Velasco A, San Jose-Eneriz E, Garate L, *et al.* Epigenetic regulation of Wnt-signaling pathway in acute lymphoblastic leukemia. *Blood* 2007; 109(8): 3462-9.
 - 93- Roman-Gomez J, Jimenez-Velasco A, Cordeu L,

- Vilas-Zornoza A, San Jose-Eneriz E, Garate L, *et al.* WNT5A, a putative tumour suppressor of lymphoid malignancies, is inactivated by aberrant methylation in acute lymphoblastic leukaemia. *Eur J Cancer* 2007; 43(18): 2736-46.
- 94- Simon M, Grandage VL, Linch DC, Khwaja A. Constitutive activation of the Wnt/beta-catenin signalling pathway in acute myeloid leukaemia. *Oncogene* 2005; 24(14): 2410-20.
- 95- Wang L, You LS, Ni WM, Ma QL, Tong Y, Mao LP, *et al.* β -Catenin and AKT are promising targets for combination therapy in acute myeloid leukemia. *Leuk Res* 2013; 37(10): 1329-40.
- 96- Metzeler KH, Heilmeier B, Edmaier KE, Rawat VP, Dufour A, Dohner K, *et al.* High expression of lymphoid enhancer-binding factor-1 (LEF1) is a novel favorable prognostic factor in cytogenetically normal acute myeloid leukemia. *Blood* 2012; 120(10): 2118-26.
- 97- Fu Y, Zhu H, Wu W, Xu J, Chen T, Xu B, *et al.* Clinical significance of lymphoid enhancer-binding factor 1 expression in acute myeloid leukemia. *Leuk Lymphoma* 2014; 55(2): 371-7.
- 98- Zhang B, Li M, McDonald T, Holyoake TL, Moon RT, Campana D, *et al.* Microenvironmental protection of CML stem and progenitor cells from tyrosine kinase inhibitors through N-cadherin and Wnt-beta-catenin signaling. *Blood* 2013; 121(10): 1824-38.
- 99- Dorfman DM, Greisman HA, Shahsafaei A. Loss of expression of the WNT/beta-catenin-signaling pathway transcription factors lymphoid enhancer factor-1 (LEF-1) and T cell factor-1 (TCF-1) in a subset of peripheral T cell lymphomas. *Am J Pathol* 2003; 162(5): 1539-44.

Review Article

The role of Wnt/ β -catenin signaling pathway in blood leukemias

Ghari M.¹, Fathi E.¹, Farahzadi R.²

¹Faculty of Veterinary Medicine, University of Tabriz, Tabriz, Iran

²Hematology and Oncology Research Center, Tabriz University of Medical Sciences, Tabriz, Iran

Abstract

Background and Objectives

Wnt/ β -catenin signaling pathway is one of the key cascades regulating development and stability of immune and blood cells, but its precise role is still controversial and is the subject of many studies. With activation of the canonical Wnt/ β -catenin signaling pathway, β -catenin protein is imported into the nucleus and activates transcription of target genes including cyclin D1 and c-myc. The canonical Wnt / β -catenin signaling pathway is aberrantly activated in cancers, and it has therefore been investigated as a potential therapeutic target for the treatment of cancer. In this article, the significance of the canonical Wnt signaling pathway and its impact on blood leukemias development will be described, and how the change in the Wnt signaling pathway will cause any types of leukemia.

Materials and Methods

The data of the present article were obtained through the review of many papers published on the effect of Wnt / β -catenin signaling pathway on various types of leukemia.

Results

The review of various studies has shown that Wnt / β -catenin signaling pathway (canonical and non-canonical) is involved at a specific stage during pathogenesis of all types of hematologic malignancies.

Conclusions

Since the Wnt/ β -catenin signaling pathway plays an important role in the natural hematopoiesis and cellular malignancy in hematopoiesis system, evidently the changes in Wnt/ β -catenin signaling pathway provide therapeutic intervention opportunities, especially because of the significant increased level of Wnt/ β -catenin signaling pathway in hematologic malignancies compared to other signaling pathways.

Key words: Wnt Signaling Pathway, Leukemia• Chronic Myeloid, Acute Myeloid Leukemia, Acute Lymphoid Leukemia, Chronic Lymphocytic Leukemia

Received: 25 Nov 2017

Accepted: 30 Jan 2018

Correspondence: Fathi E., Specialist in Clinical Veterinary Pathology. Associate Professor of Department of Clinical Sciences, Faculty of Veterinary Medicine, University of Tabriz.

Postal Code: 5166616471, Tabriz, Iran. Tel: (+9841) 13392351; Fax: (+9841) 13357834

E-mail: ez.fathi@tabrizu.ac.ir